

---

## Codes sources

---

Certains programmes, en particulier SPSO et APS, ont été initialement codés en C. Pour plus de souplesse tout a été réécrit en Scilab (Scilab Enterprises [2014]) – au prix d’une rapidité d’exécution très inférieure – avec quelques modifications permettant d’illustrer divers points évoqués dans ce livre. Trois remarques à propos de ces codes :

- ce sont des outils de recherche. Ils fonctionnent, mais il est possible, voire probable, que des erreurs subsistent ;
- ils ne sont pas optimisés. C’est parfois volontaire, pour permettre une transcription plus facile en d’autres langages, mais beaucoup pourrait être réécrits de manière plus concise ou plus efficace. Ou les deux ;
- ils ne sont pas couverts par un droit d’auteur, mais si vous les utilisez, même modifiés, en particulier pour un travail publié, il serait de bon goût de citer leur origine, c’est-à-dire le présent ouvrage.

### 13.1. Générations aléatoires et échantillonnages

Générer des nombres pseudo-aléatoires est évidemment le premier outil nécessaire aux optimiseurs stochastiques. Un certain nombre de GNA sont codés ici, y compris ceux exploitant une liste cyclique.

#### 13.1.1. *Instructions préalables pour les codes Scilab*

```
stacksize(30000000) ; // Augmentation de la mémoire
(utile si evalMax*runMax est grand)
global RND ; // valeur courante du nombre aléatoire généré
global SEED ; // Pour GNA à graine
RND=1 ; // Attention : pas 0 pour Multiplicative et HP
SEED=%e ; // Doit être transcendant, comme %pi, %e ou sin(1), etc.
// Pour Multiplicative, doit aussi être supérieur à 1
```

```
// Pour GNA congruentiel (code 11)
global A
global B
global M
// À commenter ou décommenter selon l'option choisie
// A=69069 ; B=0 ; M=2^32 ; // Marsaglia
// A=1664525 ; B=1013904223 ; M=2^32 ; // Knuth & Lewis
A=137 ; B=187 ; M=2^8 ; // Cycle de 256 nombres
// Pour GNA à liste
global RANK
global L
L=100 ; // Longueur de liste par défaut À redéfinir selon les besoins
// Pour les techniques No Man's Land
global knownPos
// Pour les problèmes Voyageur de commerce
global distances
distances=[] ;
```

### 13.1.2. Tirage d'un nombre pseudo-aléatoire, selon options

```
function rnd=alea(mini,maxi,randOption)
    global RND ;
    global SEED ;
    global A
    global B
    global M
    global L
    global RANK
    // randOption peut être soit un simple nombre
    // soit [rng, var, a,b]
    [dummy, nb]=size(randOption) ;
    if nb==1 then // GNA simples
        select randOption
            case -2
                rnd=randTrue(0,32) ; // Hasard vrai (lecture du bruit matériel)
                // Le nombre de bits peut être 8, 16, 32 ou 64
            case -1
                rnd=randTrue(1,32) ; // Hasard presque vrai
                // Lecture du bruit matériel éventuellement complété par simulation,
                //pour aller plus vite
            case 0 // GNA par défaut de Scilab (Mersenne-Twister)
                rnd=rand(1,"uniform") ;
            case 1 // Additive
                u=RND+SEED ;
                rnd=u-floor(u) ;
                RND=rnd ;
            case 11 // Générateur congruentiel
                // Attention, utilise les variables globales A, B, M
                // et RND
                rnd=A*RND + B ;
```

```

    rnd=modulo(rnd, M) ;
    RND=rnd ;
    rnd=rnd/(M-1) ; // sur {0,1]
case 12 // ANSI C
    // Attention à initialiser la variable globale RND
    a=1103515245 ; b=12345 ; m=2^16 ;
    rnd=a*RND + b ;
    rnd=modulo(rnd, m) ;
    if rnd==0 then rnd=1 ; end
    RND=rnd ;
    rnd=rnd/(2^16-1) ;
case 2 // Multiplicative
    // Attention. Bien initialiser les variables globales
    // RND=SEED= alpha, transcendant supérieur à 1
    // Plus alpha est grand, plus la distribution est uniforme
    u=RND*SEED ;
    rnd=u-floor(u) ;
    RND=rnd ;
case 3 // HP
    beta_=5 ;
    u=(RND +SEED)^beta_ ;
    rnd=u-floor(u) ;
    RND=rnd ;
case 1000 // Mersenne-Twister, liste de longueur L(variable globale)
    if RANK==L then
        RANK=0 ;
        rand("seed",123456789) ;
    end
    rnd=rand(1,"uniform") ;
    RANK=RANK+1 ;
case 1002 // Multiplicative, liste de longueur L (variable globale)
    if RANK==L then
        RND=1 ;
        RANK=0 ;
    end
    u=RND*SEED ;
    rnd=u-floor(u) ;
    RND=rnd ;
    RANK=RANK+1 ;
case 2000 // Liste ultra-courte
    //L=17 ; // Variable globale à définir au préalable
    // Note : pour accélérer l'exécution, il vaudrait mieux
    //         mettre « liste » en variable globale et
    //         et ne la calculer qu'une seule fois au début
select L
case 3 // L3a
    liste=[0.66636,0.48627,0.00779] ;// OK pourTripod
else
    printf("\n L=%i", L) ;
    error("Longueur de liste non implémentée pour le GNA 2000") ;
end
rnd=liste(RANK) ;

```

```
RANK=RANK+1 ;
if RANK>L then
    RANK=1 ;
end
case 2001 // Liste ultra-courte
select L
case 3 // L3b
    liste=[%pi/1000, sin(0.5) ,%e/2.720] ;
case 5 // L5b
    liste=listBuilder(5,%e*sin(1)) ;
else
    printf("\n L=%i", L) ;
    error("Longueur de liste non implémentée pour le GNA 2001") ;
end
rnd=liste(RANK) ;
RANK=RANK+1 ;
if RANK>L then
    RANK=1 ;
end
else // GNA par défaut de Scilab
    rnd=rand(1,"uniform") ;
end
else // Variantes non uniformes
// L'option est codée [rng, var,a,b]
// a et b : voir aleaVar()
if nb<4 then
    printf("\n alea : %i valeurs dans randOption.",nb) ;
    printf(" Il en faut une seule ou quatre. ") ;
    error(" ") ;
end
rnd=aleaVar(randOption(2),randOption(1),randOption(3),randOption(4)) ;
end
    rnd=mini+(maxi-mini)*rnd ;
endfunction
```

### 13.1.3. *Hasard vrai*

code C (c'est le seul donné ici, tous les autres sont en Scilab)

```
f_rand = fopen("/dev/urandom", "r") ;
fread(&rInt,sizeof(rInt),1,f_rand) ;
fclose(f_rand) ;
r=fabs((double)rInt/INT_MAX) ;
```

code Scilab

```
function rnd=randTrue (u, nBits) // Lecture bruit matériel (sous Linux)
if u==1 then
    [trueRand,err]=mopen("/dev/urandom","r") ;
```

```

if err ~=0 then
    error("\n Impossible d'ouvrir le fichier /dev/urandom");
end
else // Attention, plus "vrai" mais TRÈS lent !
    [trueRand,err]=mopen("/dev/random","r");
    if err ~=0 then
        error("\n Impossible d'ouvrir le fichier /dev/random");
    end
end
select nBits
case 8
    rnd=mget(1, 'uc', trueRand);
case 16
    rnd=mget(1, 'us', trueRand);
case 32
    rnd=mget(1, 'ui', trueRand);
case 64
    rnd=mget(1, 'ul', trueRand);
else
    rnd=mget(1, 'ui', trueRand); // 32 bits par défaut
end
rnd=rnd/(2^nBits -1); // Sur [0,1]
mclose;
endfunction

```

### 13.1.4. *Hasard manipulé*

```

function rnd=aleaVar(randVar,randOption,a,b)
select randVar
case 0 //Uniforme sur [0,1]
    rnd=alea(0,1,randOption);
case 1 // Gaussienne
    rnd=aleaNormal(a,b,randOption);
case 11 // Gaussienne tronquée à [0,1]
    rnd=min(1,max(0,aleaNormal(0.5,0.1,randOption)));
case 2 // Cloche. Unimodale sur [0,1].
    //a=0.3;
    b=exp(-0.5*a^-2);
    u1=-1;
    while u1<=0
        u1=alea(b,1,randOption);
    end
    u2=alea(0,1,randOption);
    v=sqrt(-2*log(u1));
    rnd=0.5*(1+a*v*cos(%pi*u2));
case 3 // Trimodale sur [0,1], calcul direct avec trois Cloches
    //a=0.3;
    b=exp(-0.5*a^-2);
    u1=alea(b,1,randOption);
    u2=alea(0,1,randOption);

```

```
v=sqrt(-2*log(u1)) ;
m=floor(alea(0,3,randOption)) ; // 0, 1 ou 2
select m
case 0
    rnd=0.5*abs(a*v*cos(%pi*u2)) ;
case 1
    rnd=0.5*(1+0.5*a*v*cos(%pi*u2)) ;
case 2
    rnd=1-0.5*abs(a*v*cos(%pi*u2)) ;
end
case 4 // Trimodale avec trois gaussiennes
m=floor(alea(0,3,randOption)) ; // 0, 1 ou 2
rnd=-1 ;
while rnd<0 | rnd>1
    select m
    case 0
        rnd=aleaNormal(0,0.1,randOption) ;
    case 1
        rnd=aleaNormal(0.5,0.05,randOption) ;
    case 2
        rnd=aleaNormal(1,0.1,randOption) ;
    end
end
case 5 // Lévy
    rnd=randLevy(a,b) ;
case 6 // Gauss + uniforme
m=floor(alea(0,2,randOption)) ;
select m
case 0
    rnd=-1 ;
    while rnd<0 | rnd>1
        rnd=aleaNormal(0,0.1,randOption) ;
    end
case 1
    rnd=alea(0,1,randOption) ;
end
case 7 // Cloche + uniforme
m=floor(alea(0,2,randOption)) ;
select m
case 0
    b=exp(-0.5*a^-2) ;
    u1=-1 ;
    while u1<=0
        u1=alea(b,1,randOption) ;
    end
    u2=alea(0,1,randOption) ;
    v=sqrt(-2*log(u1)) ;
    rnd=0.5*(1+a*v*cos(%pi*u2)) ;
case 1
    rnd=alea(0,1,randOption) ;
end
case 8 // Log-normale
```

```

auto=0;
select auto
case 1 // Attention, nécessite la bibliothèque Distfun
    rnd=distfun_lognrnd (a,b);
case 0 // Moins précis, surtout pour les petites valeurs
    u1=alea(0,1,randOption);
    u2=alea(0,1,randOption);
    rnd=exp(-(log(u1)-a)^2/(2*b^2))/(u2*b*sqrt(2*%pi));
end
end
endfunction
//-----
function rnd=aleaNormal(mu,sigma,randOption) // Gaussienne N(mu,sigma)
    u1=alea(0,1,randOption);
    u2=alea(0,1,randOption);
    rnd=sqrt(-2*log(u1))*cos(%pi*u2);
    rnd=mu+rnd*sigma;
endfunction
//-----
function r=randLevy(a,b)
    rng=0; // GNA implicite de Scilab
    erfc_1=erfinv(alea(0,1,rng)); // Identique en distribution
    // à erfinv(1-rand());

    r=a + b/(2*(erfc_1^2));
endfunction
//-----
function liste=listBuilder(sizeL, seed)
    liste(1)=seed/(1000*(1+int(seed)));
    dx=1/(sizeL-1);
    for l=2 :sizeL
        liste(l)= dx*(l-1)-liste(1)*l/sizeL;
    end
endfunction

```

#### 13.1.4.1. Approximation de la distribution de Lévy

La difficulté est de programmer une fonction approchée pour  $erf^{-1}$ , réciproque de la fonction d'erreur de Gauss. Le logiciel Scilab l'intègre en natif (fonction `erfinv`), mais il peut être intéressant de voir comment en coder une soi-même avec des opérations de bas niveau, la transposition dans d'autres langages, tels C, étant alors facile. L'inconvénient majeur de la méthode ci-dessous est qu'il n'est pas possible en pratique de générer de très petits nombres. Même avec cent coefficients, tous les nombres générés seront supérieurs à 0,11. Ce défaut pourrait être pallié grâce à une génération spécifique approchée – par exemple de densité linéaire – entre zéro et ce minimum.

```

// Coefficients pour calcul approché de la fonction d'erreur inverse
function c=coeffeErfinv(n)
    c(1)=1;
    for k=2 :n // Niveau d'approximation (conseillé, au moins 100)

```

```

// particulièrement si vous devez calculer
// randlevy(u,c) avec u proche de 1
c(k)=0;
for m=1 :(k-1)
    c(k)=c(k)+c(m)*c(k-m)/(m*( 2*m-1 ));
end
end
endfunction
// Calcul approché de la fonction d'erreur inverse
// (pour comparer avec la fonction intégrée erfinv())
// Attention, même pour un degré élevé (taille de c),
// les approximations pour u proche de 1 sont mauvaises
function erf_1=erfinvapprox(u,c)
    sizec=size(c);
    n=sizec(1);
    erf_1=0;
    for k=1 :n
        erf_1=erf_1+(c(k)/(2*k-1))*((u*sqrt(%pi)/2))^(2*k-1);
    end
endfunction
// Calcul approché de Lévy
function levy=randlevyApprox(u,c,a,b)
    levy=a+b/(2*(erfinvapprox(u,c)^2));
endfunction

```

### 13.1.5. Initialisations uniformes (continues, combinatoires)

```

//----- Initialisation uniforme d'une position
function pos=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin)
    [dummy,D]=size(posMin);
    if combin then
        //pos=grand(1,'prm',1 :D);
        pos=permut(D,randOption); // Cas combinatoire
    else
        for d=1 :D
            if quantis(d)<=0 then
                pos(1,d)=alea(posMin(d),posMax(d),randOption);
            else
                n=1+(posMax(d)-posMin(d))/quantis(d);
                r=floor(alea(0,n,randOption));
                pos(1,d)=posMin(d)+r*quantis(d);
            end
        end
        end // Fin de "if combin
endfunction

```



### 13.1.6. Initialisations régulières (Sobol, Halton)

```

// Attention, ceci nécessite la bibliothèque
// Lowdisc (low discrepancy)
function rnd=sobol(D,nb)
    rng = lowdisc_new("sobol") ;
    rng = lowdisc_configure(rng,"-dimension",D) ;
    [rng,rnd]=lowdisc_next(rng,nb) ;
    rng = lowdisc_destroy(rng) ;
endfunction
function rnd=halton(D,nb)
    rng = lowdisc_new("halton") ;
    rng = lowdisc_configure(rng,"-dimension",D) ;
    [rng,rnd]=lowdisc_next(rng,nb) ;
    rng = lowdisc_destroy(rng) ;
endfunction
// Affichage 2D d'une séquence générée
function plotSequ(rnd)
    scf() ;
    plot2d(rnd( :,1),rnd( :,2),axesflag=2, rect=[0,0,1,1]) ;
    a=get("current_axes") ;
    cpd=a.children ;
    p=cpd.children ; // Polyline
    p.line_mode="off" ;
    p.mark_mode="on" ;
    p.mark_style=0 ;
    p.mark_size=4 ;
    p.mark_foreground=2 ;
    p.mark_background=2 ;
endfunction

```

### 13.1.7. Techniques No Man's Land

```

// ----- D-rectangle No man's land
function [SSmin, SSmax]=noMansLand(pos, posMin, posMax)
// pos : liste des positions
// Renvoi le plus grand D-rectangle vide
[S,dummy]=size(pos) ; // Taille de la population. Peut être nulle
if S==0 then
SSmin=posMin ;
SSmax=posMax ;
else
[dummy, D]=size(posMin) ; // Dimension
    for d=1 :D // Pour chaque dimension, on classe les coordonnées
// par ordre croissant
// et on cherche le plus grand intervalle
        x(1)=posMin(d) ;
        x(2 :S+1)=gsort(pos( :,d),"g","i") ;
        x(S+2)=posMax(d) ;
        delta=0 ;
    end
end

```

```

    for s=1 :S+1
        dx=x(s+1)-x(s) ;
        if dx> delta then
            delta=dx ;
            SSmin(1,d)=x(s) ; SSmax(1,d)=x(s+1) ;
        end
    end
end
end
endfunction
//-----
function pos=noMansLand2(knownPos, posMin,posMax)
// Ajoute une position "au plus loin" des autres
// On cherche à minimiser un potentiel
// par exemple avec l'optimiseur Minimalist
// (mais pourrait être remplacé par un autre)
// Attention knownPos est une variable globale pour Minimalist
[dummy,D]=size(posMin) ;
[S,dummy]=size(knownPos) ;
minimalist(11,40,500*D,10,%inf,0,0) ;
pos=knownPos ;
pos(S+1, :)=posBest ;
endfunction
//-----
function pos=noMansLandSeq(posInit, posMin, posMax, randOption,nb)
// Génère nb positions en plus de celles de posInit
// Chaque nouveau point est généré dans le plus grand no man's land
// laissé par les précédents
// Attention, dans cette version, ni la quantisation ni l'aspect
// combinatoire éventuel ne sont pris en compte
// Pour générer à partir de rien (initialisation totale), l'appel est
// pos=noMansLandSeq([], posMin, posMax, randOption,nb)
[popSize, D]=size(posInit) ;
[dummy,D]=size(posMin) ;
pos=posInit ;
for n=1 :nb
    [SSmin, SSmax]=noMansLand(pos, posMin, posMax) ;
    //
    pos(popSize+1,1 :D)=initPos(SSmin,SSmax,randOption,zeros(1 :D),%F) ;
    pos(popSize+1,1 :D)=initPos(SSmin,SSmax,[0,2,0.3, 0],zeros(1 :D),%F) ;
    popSize=popSize+1 ;
end
// Affichage 2D
plotSequ(pos) ;
endfunction

```

### 13.1.8. Échantillonnages

```

//----- Tirage aléatoire dans une D-sphère
function pos=randSphere(centre,radius,nonUnif,randOption)
// Renvoi un vecteur-ligne

```

```

[line, D]=size(centre); // Sauf erreur, line=1
//direction=rand(1,D,"normal"); // Direction aléatoire
for d=1 :D direction(1,d)=aleaNormal(0,1,randOption); end
if nonUnif==0 then // Rayon aléatoire pour distribution uniforme
    //rad=radius*(rand(1,"uniform")^(1/D));
    rad=radius*(alea(0,1,randOption)^(1/D));
else // Rayon aléatoire pour distribution NON uniforme
    // (plus dense vers le centre)
    // rad=radius*rand();
    rad=alea(0,radius,randOption);
end
normDir=norm(direction);
// pos=centre + rad*direction/normDir;
for d=1 :D
    pos(1,d)=centre(1,d) + rad*direction(1,d)/normDir;
end
endfunction

```

La procédure `randAround` recherche au hasard un point situé à moins d'une certaine distance  $r$  d'un « centre », tout en étant dans l'espace de recherche. Par défaut, elle utilise la 2-distance (distance euclidienne) et, donc, tire un point au hasard dans une hypersphère. Néanmoins, comme il a été expliqué dans le chapitre 4, dès que la dimension  $D$  augmente, cette recherche peut être très longue, car la probabilité que ce point soit en dehors de l'espace de recherche est une fonction rapidement croissante de  $D$  et il faut alors itérer de nombreuses fois pour en trouver un d'acceptable. En fonction du paramètre `countMax`, l'algorithme peut tenter alors d'utiliser une distribution non uniforme (plus dense vers le centre), puis la 1-distance (qui donne à coup sûr une position acceptable), ou alors directement celle-ci.

```

//----- Sélection d'un point "autour" d'une position,
// avec différentes options
function pos=randAround(centre,position,posMin,...
posMax,countMax,randOption)
    [dummy, D]=size(centre);
    //countMax
    // -1 => uniquement selon la 1-distance
    // valeur positive (suggestion : 2*D) =>
    // a) au plus countMax tentatives avec la
    // 2-distance et distribution uniforme
    // b) si toujours pas de position acceptable,
    // alors au plus countMax tentatives avec la
    // 2-distanc et distribution non uniforme
    // c) si toujours pas de position acceptable,
    // utilisation de la 1-distance
    // %inf => uniquement selon la 2-distance, à vos risques et périls
    // car si D est grand cela peut être TRÈS long!
    // Note : si D=1, on pourrait penser obtenir le même résultat
    // avec la 1-distance et la 2-distance.
    // En fait, ce n'est pas le cas, à cause du confinement :

```

```
// - a posteriori avec la 2-distance
// - mais a priori avec la 1-distance
// Premières tentatives
radius=distance(centre,position) ;
inside=0 ;
count=0 ;
while inside==0 & count<=countMax
  pos=randSphere(centre,radius,0,randOption) ;
  count=count+1 ;
  inside=1 ;
  for d=1 :D
    if pos(d)<posMin(d) | pos(d)>posMax(d) then
      inside=0 ;
      break ;
    end
  end
end // Fin premières tentatives
// Secondes tentatives (n'est activé que si inside=0)
// On "triche" un peu, en utilisant une distribution NON uniforme
// (plus dense vers le centre)
count=0 ;
while inside==0 & count<=countMax
  pos=randSphere(centre,radius, 1,randOption) ;
  count=count+1 ;
  inside=1 ;
  for d=1 :D
    if pos(d)<posMin(d) | pos(d)>posMax(d) then
      inside=0 ;
      break ;
    end
  end
end // Fin secondes tentatives
// Recherche en 1-distance (activée si « inside » est toujours nul)
// Avec cette distance, on est certain de tomber directement
// sur un point dans l'espace de recherche
if inside==0 then
  for d=1 :D
    z=position(d)-centre(d) ;
    if z>0 then
      mini=max(posMin(d),centre(d)-z) ;
      maxi=position(d) ;
    else
      mini=position(d) ;
      maxi=min(posMax(d),centre(d)-z) ;
    end
    end
    //pos(1,d)= mini+rand(1,"uniform")*(maxi-mini) ;
    pos(1,d)= alea(mini,maxi,randOption) ;
  end
end
endfunction
```

### 13.1.9. Déplacements et confinements

```

//----- Quantification d'un vecteur de nombres
function q=quant(x0, quantis)
// Le résultat est un vecteur-ligne
// x doit être un vecteur-ligne
// Test et redressement éventuel
[a,b]=size(x0);
if a>1 then x=x0', else x=x0; end
[dummy,D]=size(x);
for d=1 :D
    qd=quantis(d);
    if qd>0 then
        q(1,d)=qd*floor(0.5+x(d)/qd);
    else
        q(1,d)=x(d);
    end
end
endfunction
//----- Confinement d'une position
function x=confinPos(poss,posMin,posMax)
// poss est un vecteur-ligne
// La sortie x est un vecteur-ligne
// Test et redressement éventuel
[a,b]=size(poss);
if a>1 then x=poss'; else x=poss; end
[dummy,D]=size(poss);
for d=1 :D
    if poss(d) <posMin(d) then
        x(1,d)=posMin(d);
    end
    if poss(d) >posMax(d) then
        x(1,d)=posMax(d);
    end
end
endfunction
//----- Confinement d'une position avec modification de vitesse
// Utile uniquement pour SPSO et ses variantes
function [x,v]=confinPosVel(pos,vel,posMin,posMax,randOption)
[dummy,D]=size(pos);
x=pos;
v=vel;
for d=1 :D
    if pos(d) <posMin(d) then
        x(d)=posMin(d);
        //v(d)=0; // SPSO 2007 originel
        v(d)=-alea(0,0.5,randOption)*vel(d); // Version modifiée
    end
    if pos(d) >posMax(d) then
        x(d)=posMax(d);
        // v(d)=0; // SPSO 2007 originel
    end
end

```

```
        v(d)=-alea(0,0.5,randOption)*vel(d) ; // Version modifiée
    end
end
endfunction
```

## 13.2. Utilitaires

```
//----- Distance euclidienne (norme 2) entre deux positions
function dist=distance(position1, position2)
// Les positions sont des vecteurs-lignes
differ=position1-position2 ;
dist=sqrt(differ*differ') ;
endfunction
//----- Distance norme 1
function dist=distance1(position1, position2)
differ=position1-position2 ;
dist=max(abs(differ)) ;
endfunction
//----- Volume d'un cube
function vol=volumCube(side, D)
vol=side^D ;
endfunction
//----- Volume d'une sphère
function vol=volumSphere(radius, D)
d2=D/2 ;
vol=(radius^D)*(%pi^d2)/gamma(d2+1) ;
endfunction
```

## 13.3. Opérations combinatoires

```
//----- Permutation aléatoire des entiers de 1 à N
function perm=permut(N,randOption)
//perm=grand(1,'prm',1 :N) ; Instruction standard en SciLab, mais
// ATTENTION. Sous certains systèmes d'exploitation (Linux Ubuntu 14.10)
// l'initialisation "setsd" ne fonctionne pas correctement, ce qui empêche
// de réeffectuer exactement la même série d'essais.
// Dans ce cas, il vaut mieux utiliser le code donné ici
temp=1 :N ; tempSize=N ;
for n=1 :N
    // Rang aléatoire dans temp
    // r=1+floor(tempSize*rand(1,"uniform")) ;
    r=1+floor(tempSize*alea(0,1,randOption)) ;
    // Affecte la valeur de temp(r)
    perm(1,n)=temp(r) ;
    // Compacte temp
    if r<tempSize then
        for d=r :tempSize-1 temp(d)=temp(d+1) ; end
    end
    tempSize=tempSize-1 ;
```

```

end
endfunction
//-----
function pos=randAroundCombin(centre,position,randOption,distanceType)
//distanceType=1; // 0 => Kendall-Tau
// 1 => Cayley
[dummy, D]=size(centre);
// Distance
radius=permutDist(centre,position,distanceType);
// On choisit au hasard un nombre de transpositions
if radius>1 then
    nbTrans=1+floor(alea(0,radius,randOption));
else
    nbTrans=1; radius=1;
end
// On effectue ces transpositions sur le "centre", au hasard
// Avec Kendall-Tau, la méthode n'est pas garantie,
//alors on boucle tant que la distance est supérieure au rayon
dist=%inf;
while dist>radius
    pos=centre; // Position initiale
    for n=1 :nbTrans
        p1=0; p2=0;
        while p1==p2 // Sélection de deux éléments différents
            p1=1+floor(alea(0,D,randOption));
            p2=1+floor(alea(0,D,randOption));
        end
        // Transposition
        temp=pos(p1); pos(p1)=pos(p2); pos(p2)=temp;
    end
    if distanceType==0 then
        // Teste si la distance est OK
        dist=permutDist(centre,pos,distanceType);
        //if dist>radius then printf("\n trop loin"); end
    else
        dist=radius-1; // Valeur arbitraire, juste pour terminer
        // la boucle while
    end
end
endfunction
//-----
function pos=randLineCombin(centre,position,randOption)
// Définit une permutation au hasard « entre » deux autres
transpo=permutDecompCayley(centre,position,[]);
[dummy, nTrans]=size(transpo);
// On choisit au hasard un nombre de transpositions
if nTrans>1 then
    n=floor(alea(1,nTrans,randOption));
else
    n=1;
end
// On effectue ces transpositions sur le "centre",

```

```

    pos=transpoApply(centre,transpo( :,n));
endfunction
//-----
function dist=permutDist(perm1,perm2,distanceType)
// Distance entre deux permutations
select distanceType
case 0 // Distance de Kendall-Tau
    dist=permutDistKT(perm1,perm2);
else // Distance de Cayley
    dist=permutDistCayley(perm1,perm2);
end
endfunction
//-----
function dist=permutDistKT(perm1,perm2)
// Distance de Kendall-Tau
// C'est le nombre de paires qui ne sont pas dans le même ordre
// dans les deux permutations
transpo=permutDecompKT(perm1,perm2);
[dummy,dist]=size(transpo);
endfunction
//-----
function transpo=permutDecompKT(perm1,perm2)
// Décomposition minimale d'une permutation en séquence de transposition
// pour la distance de Kendall-Tau
[dummy,D]=size(perm1);
transpo=[];
dist=0;
for d1=1 :D-1 // Pour toutes les paires de perm1 ...
    for d2=d1+1 :D
        m1=perm1(d1);
        m2=perm1(d2);
        // ... on cherche dans perm2 le rang de son premier élément
        // et le rang de son second élément
        for d3=1 :D
            if perm2(d3)==m1 then rank1=d3;
            else
                if perm2(d3)==m2 then rank2=d3; end
            end
        end
        if rank1>rank2 then
            dist=dist+1;
            transpo(1,dist)=d1;
            transpo(2,dist)=d2;
        end
    end
end
endfunction
//-----
function dist=permutDistCayley(permutInit,permutEnd)
// Distance de Cayley
// Nombre minimum de transpositions pour passer
// d'une permutation à l'autre

```



```

// Plus longue à calculer, mais plus fine que Kendall-Tau
transpo=permutDecompCayley(permutInit,permutEnd,[]);
[dummy,dist]=size(transpo);
endfunction
//-----
function transpo=permutDecompCayley(permutInit,permutEnd,transpo0)
// Construit une séquence minimum de transpositions
// pour aller d'une permutation de 1 :D à une autre de 1 :D
// Attention, on appelle cette fonction récursive avec transpo=[]
[dummy,D]=size(permutEnd);
[dummy,p]=size(transpo0);
permut=permutInit;
transpo=transpo0;
// Si les permutations sont identiques, on ne fait rien
ident=1;
for k=1 :D
    if permutInit(k) ~=permutEnd(k) then
        ident=0;
        break;
    end
end
// Sinon, k est le premier point non fixe,
// On cherche la transposition qui replace
// permutInit(k) en bonne position
if ident==0 then
    p=p+1;
    d=k+1;
    while permutEnd(d)~=permutInit(k)
        d=d+1;
    end
    // Mémorise la transposition
    transpo(1,p)=k;
    transpo(2,p)=d;
    // Applique la transposition
    temp=permut(d);
    permut(d)=permut(k);
    permut(k)=temp;
    //printf("\npermut "); for d=1 :D printf(" %i",permut(d)); end
    // Appel récursif
    transpo=permutDecompCayley(permut,permutEnd,transpo);
end
endfunction
//-----
function permut=transpoApply(permut,transpo)
// Applique une séquence de transpositions à une permutation
// Attention : pas de contrôle des tailles ni des valeurs,
// on suppose qu'elles sont OK
[dummy2,nbTranspo]=size(transpo);
if nbTranspo>0 then
    for n=1 :nbTranspo
        r1=transpo(1,n);
        r2=transpo(2,n);
    end
end

```

```

        temp=permut(r1) ;
        permut(r1)=permut(r2) ;
        permut(r2)=temp ;
    end
end
endfunction
//-----
function pr=probaTsp(D,noRepeat,t)
    // Pour un problème "Voyageur de commerce" symétrique
    // avec une seule solution
    // D = nombre de villes
    // Probabilité de trouver cette solution en tirant au hasard :
    // noRepeat 0 => avec remise, on peut tirer plusieurs
    // fois la même permutation
    // noRepeat 1 => sans remise
    // t = nombre de tirages
    select noRepeat
    case 0
        pr=1-(1-2/factorial(D-1))^t ; // 2*D/factorial(D). 2 pour la symétrie
        //et D pour les permutations cycliques
    case 1
        // if t>=factorial(D)-2*D then pr=1 ;
        //else
        if t==1 then
            pr=2/factorial(D-1) ;
        else
            z=2*D/(factorial(D)-t+1) ;
            pr=probaTsp(D,1,t-1)*(1-z)+z ;
        end
        //end
    end
endfunction
//-----
function probaTspPlot(D,tMax)
    //Courbes de comparaisons des probabilités de succès avec et sans remise
    for t=1 :tMax
        pr0(t)=probaTsp(D,0,t) ;
        pr1(t)=probaTsp(D,1,t) ;
    end
    scf() ;
    plot2d([1 :tMax],[pr0,pr1],style=[2,3]) ;
    xtitle(" ","Nombre de tirages","Probabilité de succès") ;
    legends(["avec remise";"sans remise"],[2,3],1) ;
endfunction

```

### 13.4. Algorithme Aléatoire

```

function randomSearch(pb,evalMax,runMax,randOption,tracePos)
    // Exemple : randomSearch(3,1000,100,0,0)
    global RND ;

```

```

global SEED ;
global A
global B
global M
global L
global RANK
RANK=0 ; // Pour GNA à liste
rand("seed",123456789) ; // Initialisation de la graine,
//                               pour résultats reproductibles
// Définition du problème
[D,posMin0,posMax0,quantis,normalise]=pbDef(pb) ;
combin=pb>1000 ; // Problème combinatoire
global distances // Pour les problèmes « Voyageur de commerce »
// En cas de normalisation, l'espace de recherche est [0,1]^D
if normalise==0 then
    posMin=posMin0 ;
    posMax=posMax0 ;
else
    posMin=zeros(1,D) ;
    posMax=ones(1,D) ;
end
// Boucle sur les essais
for run=1 :runMax
    evalNb=0 ;
    costMin=%inf ;
    // Boucle sur les évaluations
    while evalNb<evalMax
        // Échantillonnage aléatoire
        pos= initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin) ;
        cost=pbEval(pb,pos(1, :),posMin0,posMax0,normalise) ;
        evalNb=evalNb+1 ;
        if tracePos==1 then
            if normalise==0 then
                for d=1 :D positions(evalNb,d)=pos(d) ; end
            else
                for d=1 :D
                    positions(evalNb,d)=posMin0(d)+pos(d)*(posMax0(d)-posMin0(d)) ;
                end
            end
        end
        if cost<costMin then
            costMin=cost ; // Meilleure valeur
            bestPos=pos ; // Meilleure position
        end
        costBest(run,evalNb)=costMin ;
    end // Fin boucle sur les évaluations
    // Affichage du résultat
    printf("\n Essai %i => %e",run,costBest(run,evalMax)) ;
    // Sauvegarde du résultat
    if normalise==0 then
        resultBest(run,1 :D)=bestPos ;
    else

```

```

    for d=1 :D
        resultBest(run,d)=posMin0(d) +bestPos(d)*(posMax0(d)-posMin0(d)) ;
    end
end
resultBest(run,D+1)=costMin ;
end // Fin boucle sur les essais
printf("\nALÉATOIRE" );
printf("\nProblème %i,dimension %i",pb,D) ;
if normalise==1 then printf("\nEspace de recherche normalisé") ; end
printf("\n randOption %i",randOption) ;
if randOption >=1000 then
    printf("\n Liste cyclique de longueur %i",L) ;
end
printf("\n %i évaluations,%i essais",evalMax,runMax) ;
printf("\n Minimum %e",min(costBest( : ,evalMax))) ;
printf("\n Moyenne %e",mean(costBest( : ,evalMax))) ;
printf("\n Écart-type %e",stdev(costBest( : ,evalMax))) ;
printf("\n Médiane %e",median(costBest( : ,evalMax))) ;
if tracePos==1 then
    [resultBest,costBest,positions]=resume(resultBest,costBest,positions) ;
else
    [resultBest,costBest]=resume(resultBest,costBest) ;
end
endfunction

```

### 13.5. Algorithme Minimaliste

```

function minimalist(pb,popSize0,evalMax,runMax,...
countMax,line,randOption)
// Exemples
// minimalist(310,40,5000,100,%inf,0,0) Alpine 10D,
// population de 40
// minimalist(310,-1,5000,100,%inf,0,0) Alpine 10D,
// population automatique
// minimalist(3,40,1000,100,%inf,0,1000) Alpine 10D, avec liste
// Longueur de liste L, variable globale à initialiser
// minimalist(3,40,10000,100,%inf,0,[0,6,0,0]) // GNA = Gauss+uniforme
// minimalist(3,40,10000,100,%inf,0,[0,7,0.3,0]) // GNA = Cloche+uniforme
// minimalist(11,40,1000,1,%inf,0,0) // Test initialisation.
// La variable globale knownPos doit être renseignée
// minimalist(3,9,100,100,-1,0,2000) // Test liste extra-courte de longueur L
// (variable globale à initialiser).
global RND ;
global SEED ;
global A
global B
global M
global L
global RANK
global knownPos
rand("seed",123456789) ; // Initialisation de la graine,
// pour résultats reproductibles

```

```

//randOption=0; Type de GNA. Voir alea()
//countMax=-1; // Voir randAround(). Sans effet si problème combinatoire
// Pour les problèmes combinatoires :
distanceType=1; // 0 => Kendall-Tau
//* 1 => Cayley (préférable)
// line = 0; // 0 => autour d'une position
// 1 => entre deux positions
// Définition du problème
[D,posMin0,posMax0,quantis,normalise]=pbDef(pb);
combin=pb>1000; // Traitement particulier si problème combinatoire
toQuantis=sum(quantis)>0; // Pour discrétisation sur certaines dimensions
// En cas de normalisation, l'espace de recherche est [0,1]^D
if normalise==0 then
    posMin=posMin0;
    posMax=posMax0;
else
    posMin=zeros(1,D);
    posMax=ones(1,D);
end
// Taille de la population (si >0, doit être >=2)
if popSize0>0 then popSize=popSize0;
else
    select popSize0
    case -1 // Comme SPSO 2007
        popSize = floor(10 + 2 * sqrt(D));
    case -2 // Comme APS standard
        popSize=sqrt(40*40 + (D+2)^2); z=40 + 2 * sqrt(D);
        popSize=floor(max(popSize,z));
    end
end
// Boucle sur les essais
for run=1 :runMax
    RANK=1+modulo(run-1,L); // Pour les GNA à liste.
                                // Attention à avoir défini L au préalable
    // Initialisation aléatoire
    for pop=1 :popSize
        pos(pop,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin);
    end
    evalNb=0;
    cost=%inf*ones(1,popSize);
    best=1;
    for pop=1 :popSize // Évaluations initiales
        cost(pop)=pbEval(pb,pos(pop,1 :D),posMin0,posMax0,normalise);
        evalNb=evalNb+1;
        // Sauvegarde le meilleur résultat
        if cost(pop)<cost(best) then best=pop; end;
        costBest(run,evalNb)=cost(best);
    end
    // Boucle sur l'effort (nombre d'évaluations)
    while evalNb<=evalMax
        // Boucle sur la population
        for pop=1 :popSize // Pour chaque individu/position ...
            if pop==best then continue; end
            //... définit une position...

```

```
if combin then // Problème combinatoire
  if line==0 then
    posAttempt=randAroundCombin(pos(best, :), ...
      pos(pop, :),randOption,distanceType);
  else
    posAttempt=randLineCombin(pos(best, :),pos(pop, :),...
      randOption,distanceType);
  end
else // Problème continu ou discret ou mixte
  if line==0 then
    posAttempt=randAround(pos(best, :),pos(pop, :),posMin,posMax,...
      countMax,randOption);
  else
    posAttempt=randLine(pos(best, :),pos(pop, :),posMin,posMax,...
      countMax,randOption);
  end
  // Discrétisation éventuelle
  posAttempt=quant(posAttempt,quantis);
  // Confinement, peut être nécessaire après la discrétisation
  if toQuantis then
    posAttempt=confinPos(posAttempt,posMin,posMax);
  end
end
// ... et l'évalue
costAttempt=pbEval(pb,posAttempt,posMin0,posMax0,normalise);
evalNb=evalNb+1;
if evalNb>evalMax then break; end
nEval(run,evalNb)=evalNb; // Données pour graphiques d'évolution
costBest(run,evalNb)=cost(best);
// ... si amélioration, "déplace" l'individu sur la nouvelle position
if costAttempt<cost(pop) then
  pos(pop, :)=posAttempt;
  cost(pop)=costAttempt;
end
// ... si meilleure que la meilleure, la remplace
if cost(pop)<cost(best) then best=pop; end
end // Fin boucle sur les individus
if evalNb>evalMax then break; end
end // Fin boucle sur les évaluations
//Affichage du résultat
printf("\n Essai %i => %e",run,cost(best));
// Sauvegarde du résultat
resultBest(run, :)=pos(best, :); // Une ligne de D coordonnées par essai.
end // Fin boucle sur les essais
printf("\nMINIMALISTE");
printf("\nProblème %i, dimension %i",pb,D);
if normalise==1 then printf("\nEspace de recherche normalisé"); end
printf("\n %i essais de %i évaluations",runMax,evalMax);
printf("\n Population %i",popSize);
printf("\n countMax %i",countMax);
printf("\n line %i",line);
[dummy,nb]=size(randOption);
printf("\n randOption ");
for n=1 :nb printf(" %i",randOption(1,n)); end
```

```

if randOption(1,1) >=1000 then
  printf("\n Liste cyclique de longueur %i",L);
end
printf("\n Résultat =>");
printf("\n Minimum %e",min(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Moyenne %e",mean(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Écart-type %e",stdev(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Médiane %e",median(costBest( :,evalMax)));
[resultBest,costBest,posBest]=resume(resultBest,costBest,pos(best, :));
endfunction

```

### 13.6. Algorithme SPSO

Il s'agit d'une version réécrite à partir du code C de SPSO 2007, disponible sur la *Particle Swarm Central* (PSC [2014]), avec quelques compléments, en particulier le traitement « naïf » des problèmes combinatoires dont l'espace de recherche est l'ensemble des permutations de  $\{1, 2, \dots, D\}$ . Le code permet l'utilisation de la distance de Kendall-Tau ou celle de Cayley, mais cette dernière est plus pertinente pour remplacer les entités et les opérateurs classiques de SPSO, de la manière suivante :

Position  $\rightarrow$  permutation de  $\{1, 2, \dots, D\}$ .

Déplacement (souvent appelé « vitesse »)  $\rightarrow$  séquence de transpositions  $s = ((r_{1,1}, r_{1,2}), (r_{2,1}, r_{2,2}), \dots, (r_{L(s),1}, r_{L(s),2}))$ , où  $L(s)$  est la longueur de la séquence et les  $r_{i,j}$  des entiers donnant les rangs des éléments à transposer.

Application d'un déplacement  $s$  à une position  $P \rightarrow s(P)$ .

Différence de deux positions  $P_1 - P_2 \rightarrow$  séquence minimale  $s$  de transpositions, telle que  $s(P_1) = P_2$ . Le résultat est donc un déplacement.

Somme de deux déplacements  $s_1$  et  $s_2 \rightarrow s = s_2 \circ s_1$  (les transpositions de  $s_1$  puis celles de  $s_2$ ). L'ordre à son importance, car l'opération n'est pas commutative.

Multiplication d'un déplacement  $s$  par un coefficient  $\lambda \rightarrow$  si  $\lambda \leq 1$  alors  $k = \max(1, \lfloor \lambda L(s) \rfloor)$  sinon  $k = \lfloor (\lambda - 1) L(s) \rfloor$ .

```

// -----SPSO 2007
// modifié par Maurice Clerc, 2014
// Variante à partir du code source en C disponible sur le
// Particle Swarm Central http://particleswarm.info
// Modifications :
// - méthode de confinement, en cas de sortie de l'espace de recherche,
//   non seulement la particule est ramenée sur une frontière
//   mais sa vitesse est inversée de manière partiellement aléatoire.
// - traitement de problèmes combinatoires type "Voyageur de commerce".
//   Attention, il s'agit d'un traitement rudimentaire

```

```

// juste pour montrer que, puisqu'un tel problème
// est à corrélation positive, on peut faire mieux
// que l'aléatoire en le traitant selon les mêmes
// principes qu'un problème continu, en adaptant les opérateurs
// de la combinaison linéaire utilisée dans SPSO.
// On ne cherche pas ici la performance,
// mais l'illustration expérimentale d'un concept mathématique
//
function spso(pb,popSize,evalMax,runMax,tracePos,randOption)
// Si popSize<0, on utilise son estimation automatique
// en fonction de la dimension du problème
// tracePos : 1 => sauvegarde toutes les positions, 0 sinon
// Exemples :
// spso(3,-1,1000,100,0,0) // Alpine 2D, population calculée
global RND;
global SEED;
global A
global B
global M
global L
global RANK
// randOption// Type de GNA. Voir alea()
nPos=0;
rand("seed",123456789); // Initialisation de la graine,
// pour résultats reproductibles
grand("setgen","mt"); // Mersenne-Twister
grand("setsd",123456789); // ATTENTION, cela ne fonctionne pas avec
// certains systèmes d'exploitation (Ubuntu 14.10)
// Il vaut alors mieux utiliser permut(N,randOption).
// Cela est d'ailleurs nécessaire si l'on veut appliquer un GNA
// non défini dans Scilab (il faut alors le définir dans alea())
//
// Définition du problème
[D,posMin0,posMax0,quantis,normalise]=pbDef(pb);
combin=pb>1000; // Pour problèmes combinatoires. Distance de Cayley
toQuantis=sum(quantis)>0;
if normalise==0 then
    posMin=posMin0;
    posMax=posMax0;
else
    posMin=zeros(1,D);
    posMax=ones(1,D);
end
// Taille de l'essai
if popSize<0 then
    //S=sqrt(40*40 + (D+2)^2); z=40 + 2 * sqrt(D); // Formule d'APS
    // S=floor(max(S,z));
    S = floor(10 + 2 * sqrt(D)); // Formule d'origine de SPSO 2007
else
    S=popSize;
end
disp(S,"Swarm size");
// Paramètre p de la topologie variable
K=3; // C'est le nombre moyen approximatif d'informatrices

```



```

//      pour chaque particule
p=1-(1-1/S)^K;
// Note : pour simuler la topologie globale, faire p=1.
// Inertie et Coefficients de confiance
w = 1/(2 * log (2)); // 0.721.Inertie, tendance à suivre la même direction
c = 0.5 + log (2); // 1.193. Tendance conservatrice et tendance panurgienne
// Note : certaines variantes utilisent deux valeurs différentes
// Meilleur résultat sur l'ensemble des essais
bestBest=%inf;
// Index initial pour les rangs des particules
index=linspace(1,S,S);
//----- Boucle sur les essais
for run=1 :runMax
RANK=1+modulo(run-1,L); // Pour les GNA à liste.
//      Attention à avoir défini L au préalable
evalNb=0;
cost=%inf*ones(1,S);
best=1;
clear pos;
clear vel;
//-----Initialisation des positions
for s=1 :S
    pos(s,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin);
end
// -----Initialisation des vitesses
if combin then // Une "vitesse" est une liste de transpositions
// On peut aussi mettre simplement transpo=[],
// c'est-à-dire initialiser avec une "vitesse" nulle
for s=1 :S
    transpo(s,1,1 :D)=permut(D,randOption); // Premier élément
// des transpositions
    transpo(s,2,1 :D)=permut(D,randOption); // Second élément
    transpo(s,1,D+1)=D; // Longueur de la séquence
end
else // L'idée est qu'aucune particule ne quitte
// l'espace de recherche
// dès la première itération
for s=1 :S
    for d=1 :D
        vel(s,d)=(alea( posMin(d),posMax(d),randOption ) - pos(s,d))/2;
    end
end
end
// Prise en compte du caractère discret éventuel de certaines variables
if ~combin then
if toQuantis then
for s=1 :S
    pos(s,1 :D)=quant(pos(s, :),quantis);
// Confinement. Peut parfois (rarement) être nécessaire,
// à cause du traitement précédent
[x,v]=confinPosVel(pos(s, :),vel(s, :),posMin,posMax,randOption);
//for d=1 :D pos(s,d)=x(d); vel(s,d)=v(d); end
pos(s,1 :D)=x;
vel(s,1 :D)=v;
end
end
end

```

```

        end
    end
end
// Optionnellement, sauve les positions, pour analyses à posteriori
// (signature, trajectoires, etc.)
if tracePos==1 then
    for s=1 :S
        nPos=nPos+1;
        if normalise==0 then
            for d=1 :D positions(nPos,d)=pos(s,d); end
        else
            for d=1 :D
                positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos(s,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
            end
        end
    end
end
end
// Évaluations
for s=1 :S
    cost(s)=pbEval(pb,pos(s, :),posMin0,posMax0,normalise);
    evalNb=evalNb+1;
    // Meilleure position mémorisée
    // On sauvegarde aussi sa valeur, dans l'élément D+1
    pBest(s,1 :D)=pos(s,1 :D);
    pBest(s,D+1)=cost(s);
    // Sauvegarde du résultat, pour traitements ultérieurs
    // (Eff-Rés, en particulier).
    nEval(run,evalNb)=evalNb;
    costBest(run,evalNb)=cost(best);
    // Rang "best" de la meilleure particule
    if cost(s)<cost(best) then best=s; end;
end // Fin d'initialisation
errorPrev=cost(best); // Meilleur résultat courant
initLinks=1; // Drapeau pour modifier ou non la topologie
//----- Boucle sur les évaluations
while evalNb<=evalMax
    // Modifie la topologie. Qui informe qui, au hasard
    if initLinks==1
        for s = 1 :S
            for m=1 :S
                if alea (0,1,randOption)<p then
                    LINKS(m,s) = 1; // Méthode probabiliste
                else LINKS(m,s) = 0;
                end
            end
            LINKS(s,s)=1; // Chaque particule s'informe elle-même
        end
    end
    // Permutation aléatoire des rangs des particules
    // Note : pas franchement nécessaire,
    // mais l'algorithme est ainsi un peu plus robuste
    // index=grand(1,'prm',index);
    index=permut(S,randOption);
    // ----- Boucle sur les particules

```

```

for s0=1 :S // Pour chaque individu/position ...
s=index(s0);
if s==best then // La meilleure position ne bouge pas ...
    continue;
    // ... mais on pourrait aussi effectuer un "petit" mouvement aléatoire
    // < choix d'une autre position, pour définir le "rayon" du mouvement>
    // < randAround ou randAroundCombin>
    // continue;
end
// Trouve la première informatrice. Son indice est s1
s1=1;
while LINKS(s1,s)==0
    s1=s1+1;
end
// Trouve la meilleure informatrice. Son indice est g.
g=s1;
for m=s1 :S
    if LINKS(m,s)==1 & cost(m)<=cost(g) then g=m;end
end
if ~combin then
    // Calcule et applique le déplacement
    for d=1 :D
        vel(s,d)=w*vel(s,d) +alea(0,c,randOption)*(pBest(s,d)-pos(s,d))...
            +alea(0,c,randOption)*(pBest(g,d)-pos(s,d));
        pos(s,d)=pos(s,d)+vel(s,d);
    end
    // Tient compte de la discrétisation
    if toQuantis then
        pos(s, :)=quant(pos(s, :),quantis);
    end
    // Confinement
    [x,v]=confinPosVel(pos(s, :),vel(s, :),posMin,posMax,randOption);
    //for d=1 :D pos(s,d)=x(d); vel(s,d)=v(d); end
    pos(s,1 :D)=x;
    vel(s,1 :D)=v;
else // Cas combinatoire. Forme une séquence de transpositions
    // On utilise la distance de Cayley
    // (nb minimum de transpositions pour aller
    // d'une permutation à une autre)
    // La prise en compte du coefficient c est rudimentaire,
    // on peut sûrement l'améliorer
    // On applique successivement les transpositions.
    // Attention, l'ordre est important (pas de commutativité)
    posPrev=pos(s, :);
    //----- Tendence panurgienne (aller vers la meilleure)
    transpoC= permutDecompCayley(pos(s, :),pBest(g,1 :D),[]);
    [dummy2,tSize]=size(transpoC);
    if tSize>0 then
        ct=tSize*alea(0,c,randOption);
        ct=round(ct);
        if ct<tSize then // On va de de pos(s) vers pBest(g)
            transpoC2=transpoC( :,1 :ct);
            pos(s, :)=transpoApply(pos(s, :),transpoC2);
        else // On va "au-delà" de pBest(g)

```

```

ct=modulo(ct,tSize);
if ct>0 then
    transpoC2=transpoC( :,1 :ct);
    pos(s, :)=transpoApply(pBest(g,1 :D),transpoC2);
else
    pos(s, :)=pBest(g,1 :D);
end
end
end
// -----Tendance conservatrice
// (retourner vers la meilleure position de la particule)
transpoC= permutDecompCayley(pos(s, :),pBest(s,1 :D),[]);
[dummy2,tSize]=size(transpoC);
if tSize>0 then
    ct=tSize*alea(0,c,randOption); ct=round(ct);
    if ct<tSize then // On va de pos(s) vers pBest(s)
        transpoC1=transpoC( :,1 :ct);
        pos(s, :)=transpoApply(pos(s, :),transpoC1);
    else // On va "au-delà" de pBest(s)
        ct=modulo(ct,tSize);
        if ct>0 then
            transpoC1=transpoC( :,1 :ct);
            pos(s, :)=transpoApply(pBest(s,1 :D),transpoC1);
        else
            pos(s, :)=pBest(s,1 :D);
        end
    end
end
end
// Inertie (conserver la même "vitesse", mais en ralentissant)
transpoSize=transpo(s,1,D+1);
wt=floor(w*transpoSize);
wt=max(wt,1); // Au moins une transposition
for i=1 :2
    for j=1 :wt
        transpoW(i,j)=transpo(s,i,j);
    end
end
pos(s, :)=transpoApply(pos(s, :),transpoW);
//----- Recalcule la "vitesse"
transpoTemp=permutDecompCayley(posPrev,pos(s, :),[]);
[dummy2,tSize]=size(transpoTemp);
for i=1 :2
    for j=1 :tSize
        transpo(s,i,j)=transpoTemp(i,j);
    end
    transpo(s,i,D+1)=tSize;// Pour mémoriser la longueur réelle
                        // de la séquence
end
end // Fin if ~combin
// Optionnellement, sauve la position, pour analyses a posteriori
if tracePos==1 then
    nPos=nPos+1;
    if normalise==0 then
        for d=1 :D positions(nPos,d)=pos(s,d); end
    end
end

```

```

else
  for d=1 :D
    positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos(s,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
  end
end
end
// Évalue la nouvelle position
cost(s)=pbEval(pb,pos(s, :),posMin0,posMax0,normalise);
evalNb=evalNb+1;
// Test de fin
// (en cas de fin, on aura fait une évaluation de trop pour rien,
// mais tant pis)
if evalNb>evalMax then break; end
// On continue
nEval(run,evalNb)=evalNb; // Données pour traitements ultérieurs
costBest(run,evalNb)=cost(best);
// Met à jour la meilleure position mémorisée par la particule
if cost(s)<=pBest(s,D+1) then
  for d=1 :D pBest(s,d)=pos(s,d); end
  pBest(s,D+1)=cost(s);
  // ... si meilleure que la meilleure, la remplace
  if cost(s)<pBest(best,D+1) then best=s; end
end
end // Fin boucle sur les particules
// Si pas d'amélioration on changera la topologie
// pour la prochaine itération
if pBest(best,D+1)<errorPrev then initLinks=1;
else initLinks=0;
end
// if evalNb>evalMax then break; end
errorPrev=pBest(best,D+1);
end // Fin boucle sur les évaluations
//
// Sauvegarde du résultat
if normalise==0 then
  resultBest(run, :)=pBest(best, :); // Une ligne de D coordonnées
  // par essai + le résultat
else
  for d=1 :D
    resultBest(run,d)=posMin0(d) +pBest(best,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
  end
  resultBest(run,D+1)=pBest(best,D+1);
end
if pBest(best,D+1)<bestBest then
  bestRun=run;
  bestBest=pBest(best,D+1);
end
// Affichage
printf("\n Essai %i => %e",run,cost(best));
end // Fin boucle sur les essais
printf("\nSPSO ");
[dummy,nb]=size(randOption);
printf("\n randOption ");
for n=1 :nb printf(" %i",randOption(1,n)); end

```

```
if randOption(1,1) >=1000 then
    printf("\n Liste cyclique de longueur %i",L);
end
printf("\nProblème %i, dimension %i",pb,D);
printf("\n %i essais de %i évaluations",runMax,evalMax);
printf("\n Taille de l'essai %i",S);
printf("\n Minimum : %e",min(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Moyenne %e",mean(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Écart-type : %e",stdev(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Médiane : %e",median(costBest(:,evalMax)));
if tracePos==1 then
    [resultBest,costBest,positions,bestRun]=...
        resume(resultBest,costBest,positions,bestRun);
else
    [resultBest,costBest,bestRun]=resume(resultBest,costBest,bestRun);
end
endfunction
```

### 13.7. Algorithme APS

```
// Adaptive Population-based Simplex (APS)
// modifié par Maurice Clerc, 2014
// Version Scilab à partir de la description et des codes disponibles
// sur le site http://aps-optim.info
//
// Principales modifications
// - option d'initialisation par no man's lands successifs
// - variantes de recherche locale
// - problèmes combinatoires (rudimentaires)
// Le traitement d'un problème combinatoire est ici complètement calqué
// sur celui d'un problème continu. Il ne cherche pas à être particulièrement
// performant mais juste à mettre en évidence que c'est possible, avec des
// résultats meilleurs que l'aléatoire pur, du fait que même pour un problème
// combinatoire la corrélation distance-qualité est positive
//
global Smin;
global Smax;
function aps(pb, popSize,evalMax, runMax, tracePos, localSearch,countMax,...
    init,randOption)
    // suggestion : aps(pb, -5,evalMax, runMax, 0, -2,-1,0,0)
    global Smin;
    global Smax;
    global RND;
    global SEED;
    global A
    global B
    global M
    global L
    global RANK
    //
    // popSize -1 => dépendant de la dimension (formule spécifique)
    // -2 => dépendant de la dimension (même formule que SPSO)
    // -3 => population adaptative, nouvel individu au hasard
```

```

//      -4 => population adaptative, nouvel individu
//              dans un no-man's land D-rectangle
// -5 => population adaptative, nouvel individu par mutation du meilleur
popAdapt=popSize== -3 | popSize== -4 | popSize== -5;
// tracePos : 1 => save all positions, 0 sinon
// randOption  Type de GNA. Voir alea()
// localSearch=0; // 0 => Recherche locale dans un petit D-rectangle
// 10 => dans le D-rectangle englobant la population
// (ne semble pas très bon)
// -1 => fait appel à la fonction randAround().
//      Nécessite de définir countMax
// * -2 => gaussienne dimension/dimension
// 1 => petite D-sphère
// 11 => grande D-sphère
// countMax=-1; // Voir randAround().
// Pour les options suivantes, il vaut mieux mettre normalise=1
// (ou que l'espace de recherche soit déjà un D-cube)
// dans la définition du problème (voir pdDef())
// Attention, c'est aussi valable si localSearch=0 et countMax>0
// 1 => dans une petite D-sphère
// * 11 => dans une D-sphère englobante (APS standard)
// init=0; // 0 => au hasard dans l'espace de recherche
// 1 => répartition aléatoire progressive
//      selon le plus grand D-rectangle no man's land
expand=1; // 1, 2 ou 3. Voir la phase d'expansion probabiliste
nPos=0;
rand("seed",123456789); // Initialisation de la graine,
// pour résultats reproductibles
grand('setsd',123456789); // ATTENTION, cela ne fonctionne pas avec
//      certains systèmes d'exploitation (Linux Ubuntu 14.10)
//      Il vaut alors mieux utiliser permut(N,0)
zero=%eps; // Epsilon machine. C'est le "zéro".
//      Tout calcul impliquant des valeurs inférieures est douteux.
alpha=1; // Pour future adaptation dans la phase d'expansion.
// Voir la version originelle d'APS
// Définition du problème
[D,posMin0,posMax0,quantis,normalise]=pbDef(pb);
factD=factorial(D); // Pour ne le calculer qu'une seule fois
combin=pb>1000; // Problème combinatoire.
//      Une "position" est une permutation des entiers de 1 à D
// Note : calculs avec la distance de Cayley
toConfin=(popSize== -5 | localSearch== -2 | localSearch==1...
| localSearch==11) & ~combin;
toQuantis=sum(quantis)>0;
// En cas de normalisation, l'espace de recherche est [0,1]^D
if normalise==0 then
    posMin=posMin0;
    posMax=posMax0;
else
    posMin=zeros(1,D);
    posMax=ones(1,D);
end
// Taille de la population
Smin=2*(D+1);

```

```
Smax=%inf;
select popSize
case -1
    S0=sqrt(40*40 + (D+2)^2); z=40 + 2 * sqrt(D);
    S0=floor(max(S0,z)); // Formule d'APS
case -2
    S0 = max(D+1,floor(10 + 2 * sqrt(D))); // Inspiré de SPSO 2007
case -3 // Adaptative
    S0= max(D+1,floor(10 + 2 * sqrt(D))); // Valeur initiale
case -4 // Adaptative
    S0= max(D+1,floor(10 + 2 * sqrt(D))); // Valeur initiale
case -5 // Adaptative
    S0= max(D+1,floor(10 + 2 * sqrt(D))); // Valeur initiale
else
    S0=popSize;
end
printf("\n Taille de la population : %i",S0);
// Meilleur résultat sur l'ensemble des essais
bestBest=%inf;
//----- Boucle sur les essais
for run=1 :runMax
    RANK=1+modulo(run-1,L); // Pour les GNA à liste.
    // Attention à avoir défini L au préalable
    S=S0;
    evalNb=0;
    cost=%inf*ones(1,S);
    best=1;
    clear pos;
    clear vel;
    sVolI=1;
    sVol(sVolI)=0;
    //-----Initialisation des positions
    select init
    case 0
        for s=1 :S
            pos(s,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin);
        end
    case 1
        pos(1,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin);
        for s=2 :S
            [SSmin, SSmax]=noMansLand(pos, posMin, posMax);
            pos(s,1 :D)=initPos(SSmin,SSmax,randOption,quantis,combin);
        end
    end
    // Optionnellement, sauve la position, pour analyses a posteriori
    // (signature, trajectoires, etc.)
    if tracePos==1 then
        for s=1 :S
            nPos=nPos+1;
            if normalise==0 then
                for d=1 :D positions(nPos,d)=pos(s,d); end
            else
                for d=1 :D
                    positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos(s,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
                end
            end
        end
    end
end
```



```

        end
    end
end
end
// Évaluation
for s=1 :S
    cost(s)=pbEval(pb,pos(s, :),posMin0,posMax0,normalise);
    evalNb=evalNb+1;
    // Sauvegarde du résultat, pour traitements ultérieurs
    // (Eff-Rés, en particulier).
    nEval(run,evalNb)=evalNb;
    costBest(run, evalNb)=cost(best);
    // Rang "best" de la meilleure particule
    if cost(s)<cost(best) then
        best=s;
        if cost(best)<bestBest then
            bestBest=cost(best);
        end
    end;
end
end
// printf("\n Résultat après initialisation : %e",cost(best));
// Cout total
costTot=sum(cost);
//----- Boucle sur les évaluations
while evalNb<=evalMax
    costBestPrev=cost(best);
    improvNb=0;
    // ----- Boucle sur les individus
    for s0=1 :S // Pour chaque individu/position ...
        if evalNb>=evalMax then break; end
        // Permutation aléatoire des rangs des individus
        clear index;
        // index=grand(1,'prn',1 :S);
        index=permut(S,randOption);
        s=index(s0);
        // On s'assure que l'individu courant est dans les D+1 premiers.
        OK=0;
        for j=1 :D+1
            if index(j)==s then
                OK=1;
                break;
            end
        end
        if OK==0 then index(D+1)=s; end
        // Définition du simplexe. Ce sont les D+1 individus
        // Les trois premiers serviront aux opérations Expansion et Contraction
        // Le premier servira à la recherche locale
        // Le simplexe complet ne servira qu'à calculer
        // un seuil de probabilité adaptatif
        // On classe les trois premiers, par ordre croissant de cout
        // (pour une minimisation)
        i1=1; i2=2; i3=3;
        if cost(index(i2))>cost(index(i3)) then
            j=i3; i3=i2; i2=j;

```

```
end
if cost(index(i1))>cost(index(i3)) then
    j=i3; i3=i1; i1=j;
end
if cost(index(i1))>cost(index(i2)) then
    j=i2; i2=i1; i1=j;
end
rBest=index(i1);
rWorst2=index(i2);
rWorst=index(i3);
// Sauvegarde du meilleur
if cost(rBest)<=cost(best) then
    best=rBest;
end
if combin then
    pv=0.5; // Pour l'instant, en combinatoire, pas d'adaptation
else
    // Calcul de l'écart-type
    index2 = [rBest,rWorst,rWorst2];
    sMin = posMin;
    sMax = posMax;
    for d=1 :1 :D
        for j=1 :1 :3
            ri = index2(j);
            sMin(d) = min(sMin(d),pos(ri,d));
            sMax(d) = max(sMax(d),pos(ri,d));
        end
    end
    stDev = (posMax - posMin) - (sMax - sMin);
    // Adaptation du seuil de probabilité
    // L'idée est la suivante :
    // plus le volume du simplexe augmente, moins l'algorithme
    // est efficace et plus il faut utiliser d'aléatoire
    // pour augmenter la diversité. Et inversement.
    // On concatène les D+1 positions dans une matrice
    // et on ajoute une ligne de 1
    //printf("\nindex"); for d=1 :D+1; printf(" %i ",index(d)); end
    clear M;
    for j=1 :D+1
        for d=1 :D
            M(d,j)=pos(index(j),d);
        end
        M(D+1,j)=1;
    end
    // Calcul du volume du simplexe
    sVol(2-sVolI)=abs(det(M))/factD; // C'est un théorème
    // Calcul du seuil de probabilité
    if sVol(sVolI)<=zero then pv=0;
    else
        pv = (sVol(2-sVolI)-sVol(sVolI))/sVol(sVolI);
    end
    pv = 1/(1+exp(-pv)); // Logistic curve, so that pv is in [0,1]
    sVolI=2-sVolI;
end
```

```

// ----- Expansion probabiliste (quasi-réflexion) => pos1
clear pos1;
if ~combin then
    for d=1 :D
        if alea(0,1,randOption)<pv then
            select expand
            case 1
                pos1(1,d)=pos(rBest,d)+alpha*(pos(rWorst2,d)-pos(rWorst,d));
            case 2
                z=(pos(rWorst2,d)+pos(rWorst,d))/2;
                pos1(1,d)=pos(rBest,d) +alpha*(z - pos(rBest,d));
            case 3
                z=(pos(rWorst2,d)+pos(rBest,d))/2;
                pos1(1,d)=z + alpha*(z-pos(rWorst,d));
            end
        else
            pos1(1,d)=pos(s,d);
        end
    end
    // Tient compte de la discrétisation
    // Note : comme pos1 est un vecteur-colonne, il faut le transposer
    if toQuantis then
        pos1=quant(pos1,quantis); // Le résultat est un vecteur-ligne
    end
    // Confinement
    if toConfin then
        pos1=confinPos(pos1,posMin,posMax); // la sortie est un vecteur-ligne
    end
else // Cas combinatoire
    // On définit le « milieu » de [pos(rWorst2),pos(rWorst)]
    transpo=permutDecompCayley(pos(rWorst2, :), pos(rWorst, :),[]);
    [dummy,dist]=size(transpo); // Note : Si dist=1, le « milieu »
    // sera en fait pos(rWorst2)
    nTrans=floor(dist/2);
    midPos=transpoApply(pos(rWorst2, :),transpo( :,1 :nTrans));
    // "Segment" pos(rBest, :), midPos
    transpo=permutDecompCayley(pos(rBest, :), midPos,[]);
    [dummy,dist]=size(transpo);
    // On va un peu "au-delà" de midPos
    nTranspRbestMid=max(1,round(pv*dist));
    n=floor(alea(0,nTranspRbestMid,randOption));
    n=max(1,n);
    pos1=transpoApply(midPos,transpo( :,1 :n));
end
// Évalue la nouvelle position
cost1=pbEval(pb,pos1,posMin0,posMax0,normalise);
evalNb=evalNb+1;
// Optionnellement, sauve la position, pour analyses a posteriori
if tracePos==1 then
    nPos=nPos+1;
    if normalise==0 then
        for d=1 :D positions(nPos,d)=pos1(d); end
    else
        for d=1 :D

```

```

        positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos1(d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
    end
end
end
if cost1<cost(s) then
    improvNb=improvNb+1;
    improv=1;
    costTot=costTot-(cost(s)-cost1); // Si amélioration,
    //                               diminue le cout total
    for d=1 :D pos(s,d)=pos1(d); end;
    cost(s)=cost1;
    if cost(s)<=cost(best) then
        best=s;
    end
else improv=0;
end
// Sauve la meilleure position courante, pour analyses ultérieures
costBest(run,evalNb)=cost(best);
// ----- Si pas d'amélioration,
// contraction probabiliste=> pos2
if evalNb>=evalMax then break; end
if improv==0 then
    clear pos2;
    if ~combin then
        for d=1 :D
            if alea(0,1,randOption)<pv then
                pos2(1,d)=(pos(rBest,d)+pos(rWorst,d)+pos(rWorst,d))/3;
            else
                pos2(1,d)=pos(s,d);
            end
        end
        // Tient compte de la discrétisation
        if toQuantis then
            pos2=quant(pos2,quantis);
            // Normalement, en contraction, il n'y a pas lieu de tester
            // le confinement, mais cela peut quand même être nécessaire
            // après discrétisation
            if toConfin then
                pos2=confinPos(pos2,posMin,posMax);
            end
        end
    else // Combinatoire
        n=floor(alea(0,nTranspoRbestMid,randOption));
        n=max(1,n);
        pos2=transpoApply(pos(rBest, :),transpo(:,1:n));
    end
    // Évalue la nouvelle position
    cost2=pbEval(pb,pos2,posMin0,posMax0,normalise);
    evalNb=evalNb+1;
    // Optionnellement, sauve la position, pour analyses a posteriori
    if tracePos==1 then
        nPos=nPos+1;
        if normalise==0 then
            for d=1 :D positions(nPos,d)=pos2(d); end
        end
    end
end
end
end

```

```

else
  for d=1 :D
    positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos2(d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
  end
end
end
end
if cost2<cost(s) then
  improvNb=improvNb+1;
  improv=1;
  costTot=costTot-(cost(s)-cost2); // Si amélioration,
  //                               diminue le cout total
  for d=1 :D pos(s,d)=pos2(d); end
  cost(s)=cost2;
  if cost(s)<=cost(best) then
    best=s;
  end
else improv=0;
end
// Sauve la meilleure position courante, pour analyses ultérieures
costBest(run, evalNb)=cost(best);
end // Fin de "if improv==0" (Contraction)
// ----- Si pas d'amélioration,
//                               recherche locale =>pos3
if evalNb>=evalMax then break; end
if improv==0 & cost(s)>=costTot/S then // Si pas d'amélioration et
//                               en-dessous de la moyenne
clear pos3;
if ~combin then
  if localSearch==-2 then
    pos3=mutPop(pos(rBest, :),pv,stDev,randOption); // * "mutation"
  else
    pos3=around(pos, rBest, posMin,posMax,localSearch,randOption);
  end
  // Tient compte de la discrétisation
  if toQuantis then
    pos3=quant(pos3, quantis);
  end
  if toConfin then
    pos3=confinPos(pos3,posMin,posMax);
  end
else // Combinatoire
  // Note : le choix de pos(rWorst2, :) comme position
  // pour calculer le « rayon » est expérimental
  //Un autre choix pourrait donner de meilleurs résultats
  pos3=randAroundCombin(pos(rBest, :), pos(rWorst2, :), randOption,1);
  // Avec la distance de Cayley
end
// Évalue la nouvelle position
cost3=pbEval(pb,pos3,posMin0,posMax0,normalise);
evalNb=evalNb+1;
// Optionnellement, sauve la position, pour analyses à posteriori
if tracePos==1 then
  nPos=nPos+1;
  if normalise==0 then

```

```

        for d=1 :D positions(nPos,d)=pos3(d); end
    else
        for d=1 :D
            positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos3(d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
        end
    end
end
end
if cost3<cost(s) then improvNb=improvNb+1; end
// Amélioration ou pas, on déplace l'individu
for d=1 :D pos(s,d)=pos3(d); end
cost(s)=cost3;
costTot=costTot-(cost(s)-cost3);
if cost(s)<=cost(best) then
    best=s;
end
// Sauve la meilleure position courante, pour analyses ultérieures
costBest(run, evalNb)=cost(best);
end // Fin de "if improv==0" pour recherche locale
end // Fin boucle sur les individus
if evalNb>=evalMax then break; end
if popAdapt then // Adaptation de la population
    if improvNb>0.75*S & cost(best)<costBestPrev then
        // Si assez d'améliorations
        if S>Smin then // ... et si la population n'est pas trop petite ...
            // ... on cherche le rang du moins bon individu
            rw=1;
            for s=2 :S
                if cost(s)>cost(rw) then rw=s;end
            end
            // ... et on le supprime
            if rw<S then
                for s=rw :S-1
                    pos(s, :)=pos(s+1, :);
                    cost(s)=cost(s+1);
                end
            end
            S=S-1;
            printf("\n Pop-1 => %i ",S); end
        end
    if improvNb<0.5*S & cost(best)>costBestPrev
        // Si pas suffisamment d'amélioration ...
        if S<Smax then // ... et population pas trop grande,
            // alors ajouter un individu
            S=S+1; printf(" Pop+1 => %i ",S);
            select popSize
            case -3 // Au hasard dans tout l'espace de recherche
                pos(S,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,combin);
            case -4 // Au hasard dans le plus grand D-rectangle no man's land
                [SSmin, SSmax]=noMansLand(pos,posMin, posMax);
                pos(S,1 :D)=initPos(SSmin,SSmax,randOption,quantis,combin);
            case -5 // * Mutation du meilleur
                mut=mutPop(pos(rBest, :),pv,stDev,randOption);
                mut=quant(mut, quantis);
                pos(S,1 :D)=confinPos(mut,posMin,posMax);

```

```

        end
        if toQuantis then
            pos(S, :)=quant(pos(S, :),quantis);
        end
        cost(S)=pbEval(pb,pos(S, :),posMin0,posMax0,normalise);
        evalNb=evalNb+1;
    end
end
end
end // Fin boucle while sur les évaluations
// Sauvegarde du résultat. Une ligne de D coordonnées par essai
// + le résultat
if normalise==0 then
    resultBest(run, 1 :D)=pos(best,1 :D);
else
    for d=1 :D
        resultBest(run, d)=posMin0(d) +pos(best,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
    end
end
resultBest(run,D+1)=cost(best);
// Affichage
printf("\nEssai %i, => %e",run,cost(best));
// Mémorisation du rang du meilleur essai
if cost(best)<bestBest then
    bestRun=run;
    printf("\nMeilleur essai courant : %i",run);
    bestBest=cost(best);
end
end // Fin boucle sur les essais
printf("\nAPS");
printf("\nProblème %i, dimension %i",pb,D);
printf("\n %i essais de %i évaluations",runMax,evalMax);
printf("\n popSize %i",popSize);
printf("\n localSearch %i",localSearch);
printf("\n Smin %i, Smax %i",Smin,Smax);
printf("\n countMax %i",countMax);
[dummy,nb]=size(randOption);
printf("\n randOption ");
for n=1 :nb printf(" %i", randOption(1,n)); end
if randOption(1,1) >=1000 then
    printf("\n Liste cyclique de longueur %i",L);
end
printf("\nRésultats =>");
printf("\n Minimum : %e",min(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Moyenne %e",mean(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Écart-type : %e",stdev(costBest(:,evalMax)));
printf("\n Médiane : %e",median(costBest(:,evalMax)));
if tracePos==1 then
    [resultBest, bestBest, costBest,positions,bestRun]=...
        resume(resultBest, bestBest,costBest,positions,bestRun);
else
    [resultBest, bestBest,costBest,bestRun]=...
        resume(resultBest,bestBest,costBest,bestRun);
end
end

```

```

endfunction
//----- Mutation d'une position
function pos=mutPop(pos0,pv,stDev,randOption);
  [dummy,D]=size(pos0);
  for d=1 :D
    if (alea(0,1,randOption)<pv)
      pos(1,d)=pos0(d);
    else
      pos(1,d)=pos0(d)+ alea(0,stDev(d),3); // Distribution gaussienne
    end
  end
endfunction
//----- Recherche locale
// Dans la version originale d'APS, elle est faite dans une D-sphère
// Ici, on peut la faire dans un D-rectangle (voir l'option localSearch)
function x=around(pos,rBest,posMin,posMax,localSearch,randOption)
  [S,D]=size(pos);
  alpha=1/3;
  select localSearch
  case 0 // Dans un petit D-rectangle
    for d=1 :D // Pour chaque dimension ...
      //... trouve les coordonnées des individus les plus proches
      // (ou bien les frontières)
      mini=posMin(d); // Borne inférieure
      for s=1 :S
        if s==rBest then continue; end
        if pos(s,d)>pos(rBest) then continue; end
        if pos(s,d)>mini then mini=pos(s,d); end
      end
      maxi=posMax(d); // Borne supérieure
      for s=1 :S
        if s==rBest then continue; end
        if pos(s,d)<pos(rBest) then continue; end
        if pos(s,d)<maxi then maxi=pos(s,d); end
      end
      mini= pos(rBest,d)-(pos(rBest,d)-mini)*alpha;
      maxi=pos(rBest,d)+(maxi-pos(rBest,d))*alpha;
      x(d)=alea(mini,maxi,randOption);
    end
    x=x'; // On veut un vecteur-ligne
  case -1 // D-rectangle avec le plus proche en sommet
    radius=%inf;
    nearest=1;
    for s=1 :S
      if s==rBest then continue; end
      dist=distance(pos(rBest, :), pos(nearest, :));
      if dist<radius then nearest=s; radius=dist; end
    end
    x=randAround(pos(rBest, :),pos(nearest, :), posMin, posMax,-1,randOption);
  // case -2 // * Gaussienne dimension par dimension.
  // Peut être vue comme une mutation
  // Pour mémoire. Cas traité directement
  // dans le programme principal aps()
  case 10 // Dans le D-rectangle englobant l'ensemble des positions

```



```

// Note : apparemment peu efficace
for d=1 :D
    mini(d)=min(pos( :,d));
    maxi(d)=max(pos( :,d));
    x(d)=alea(mini,maxi,randOption);
end
x=x';
case 1 // Dans une petite D-sphère
    radius=%inf;
    for s=1 :S
        if s==rBest then continue; end
        dist=distance(pos(rBest, :),pos(s, :));
        if dist<radius then radius=dist; end
    end
    nonUnif=0; // Uniforme
    x=randSphere(pos(rBest, :),radius,nonUnif,randOption);
case 11 // Dans une D-sphère englobante (APS standard)
    radius=0;
    for s=1 :S
        if s==rBest then continue; end
        dist=distance(pos(rBest,1 :D), pos(s,1 :D));
        if dist>radius then radius=dist; end
    end
    // if alea(0,1,randOption)<0.5 then nonUnif=0; else nonUnif=1; end
    nonUnif=0;
    x=randSphere(pos(rBest,1 :D),radius,nonUnif,randOption);
end // Fin de "select localSearch"
endfunction

```

### 13.8. Algorithme $\mu$ PSO

```

//----- microPSO
// par Maurice Clerc, 2014
// Version spécialement adaptée pour micro-robots
// À chaque itération, ceux-ci ont la même vitesse en valeur absolue
// qui, optionnellement, décroît au cours du temps
function micropso(pb,S,evalMax,runMax,tracePos,randOption)
    global SEED;
    global A
    global B
    global M
    global L
    global RANK
    // micropso(3, 10,100, 100, 0,0) // Alpine 2D, GNA Mersenne-Twister
    // global L; L=5; micropso(3,10,100,L,0,2001) // Alpine 2D, GNA L5b
    // S=taille de la population
    // randOption// Type de GNA. Voir alea()
    nPos=0;
    rand("seed",123456789); // Initialisation de la graine,
                          // pour résultats reproductibles
    // Définition du problème.
    [D,posMin0,posMax0,quantis,normalise]=pbDef(pb);
    toQuantis=sum(quantis)>0;

```

```

if normalise==0 then
    posMin=posMin0;
    posMax=posMax0;
else
    posMin=zeros(1,D);
    posMax=ones(1,D);
end
// Paramètre K de la topologie variable
// Chaque robot/particule s'informe auprès des K plus proches
K=D+1;
if K>S-1 then
    printf("\n S=%i < K+1=%i",S,K+1);
    error("Revoir la taille de l'essai et/ou le nombre d'informatrices");
end
// Paramètre de diminution ou non du coefficient d'inertie
wVar=0; /* 0 => toujours égal à w0
//      1 => décroissance au fil des itérations
w0=0.1; /* 0.1; Si wVar=1, c'est la valeur initiale
// Coefficients de confiance
cMin=0.5;
cMax=1.5;
//----- Boucle sur les essais
bestRun=1;
for run=1 :runMax
    evalNb=0;
    cost=%inf*ones(1,S);
    best=1;
    RANK=1+modulo(run-1,L); // Pour les GNA à liste.
    //      Attention à avoir défini L au préalable
    w=w0; // Si wVar=1, sera diminué pour simuler
    //      la perte d'énergie des robots/particules
    clear pos;
    clear vel;
    //-----Initialisation des positions
    for s=1 :S
        pos(s,1 :D)=initPos(posMin,posMax,randOption,quantis,%F);
    end
    // -----Initialisation des vitesses
    clear v
    diago=1;
    for d=1 :D
        diago=diago*(posMax(d)-posMin(d))
    end
    V=sqrt(diago)/S; // Le déplacement maximum est une fraction
                    // de la diagonale
    for s=1 :S
        for d=1 :D
            // v(d)=alea(0,1,randOption); // A. Direction aléatoire non uniforme
            v(d)=aleaNormal(0,1,randOption); // B. Direction aléatoire uniforme
        end
        vel(s, :)=v'*V/norm(v); // Longueur V
    end
    // Prise en compte du caractère discret éventuel de certaines variables
    if toQuantis then

```

```

for s=1 :S
    pos(s,1 :D)=quant(pos(s, :), quantis);
end
end
// Optionnellement, sauve les positions, pour analyses a posteriori
// (signature, trajectoires, etc.)
if tracePos==1 then
    for s=1 :S
        nPos=nPos+1;
        if normalise==0 then
            for d=1 :D positions(nPos,d)=pos(s,d); end
        else
            for d=1 :D positions(nPos,d)=posMin0(d)...
                +pos(s,d)*(posMax0(d)-posMin0(d)); end
            end
        end
    end
end
// Évaluations
for s=1 :S
    cost(s)=pbEval(pb,pos(s, :),posMin0,posMax0,normalise);
    evalNb=evalNb+1;
    // Meilleure position mémorisée par la particule
    // On sauvegarde aussi sa valeur, dans l'élément D+1
    pBest(s,1 :D)=pos(s,1 :D);
    pBest(s,D+1)=cost(s);
    // Meilleure dans l'essaim
    if cost(s)<cost(best) then best=s; end;
    // Sauvegarde du résultat, pour traitements ultérieurs
    // (Eff-Rés, en particulier).
    costBest(run, evalNb)=cost(best);
end
// printf("\nMeilleur résultat après initialisation = %f",cost(best));
//----- Boucle sur les évaluations
while evalNb<=evalMax
    // ----- Boucle sur les particules
    for s=1 :S // Pour chaque individu/position
        // Trouve les K plus proches
        n=0;
        for s2=1 :S
            if s2==s then
                //pos(s, :)=pos(s, :)+w*vel(s, :);
                continue;
            end
            n=n+1;
            dist(n)=distance(pos(s, :),pos(s2, :));
            rankS(n)=s2;
        end
        [dist,r]=gsort(dist,"g","i"); // Classement par ordre croissant
        // de distance
        // Le vecteur r contient les rangs d'origine dans dist
        // Choisit la meilleure position mémorisée par ces K particules
        pBestBest=pBest(rankS(r(1)), :);
        kBest=1;
        for k=2 :K

```

```

f=pBest(rankS(r(k)),D+1);
if f<pBestBest(D+1) then
  pBestBest=pBest(rankS(r(k)), :);
  kBest=k;
end
end
// Calcule et applique le déplacement
for d=1 :D
  rd=alea(cMin,cMax,randOption);
  xTemp(d)=pos(s,d)+vel(s,d)+rd*(pBestBest(d)-pos(s,d)-vel(s,d));
  v(d)=xTemp(d)-pos(s,d);
  //vel(s,d)=w*v(d); // A
  vel(s,d)=w*vel(s,d)+ v(d); // B
end
//radius=distance(pos(s, :)+vel(s, :), pBestBest(1 :D))/2;
//xTemp=randSphere(pBestBest, radius,0,randOption)
pos(s, :)=pos(s, :)+vel(s, :);
// Tient compte de la discrétisation
if toQuantis then
  pos(s, :)=quant(pos(s, :), quantis);
end
// Confinement
x=confinPos(pos(s, :),posMin,posMax);
pos(s,1 :D)=x;
// Optionnellement, sauve la position, pour analyses a posteriori
if tracePos==1 then
  nPos=nPos+1;
  if normalise==0 then
    for d=1 :D positions(nPos,d)=pos(s,d); end
  else
    for d=1 :D
      positions(nPos,d)=posMin0(d)+pos(s,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
    end
  end
end
end
// Évalue la nouvelle position
cost(s)=pbEval(pb,pos(s, :),posMin0,posMax0,normalise);
evalNb=evalNb+1
// Test de fin
// (en cas de fin, on aura fait une évaluation de trop pour rien,
// mais tant pis)
if evalNb>evalMax then break; end
// On continue
// nEval(run,evalNb)=evalNb; // Données pour traitements ultérieurs
// Met à jour la meilleure position mémorisée par la particule
if cost(s)<=pBest(s,D+1) then
  pBest(s,1 :D)=pos(s, :);
  pBest(s,D+1)=cost(s);
end
// ... si meilleure que la meilleure, la remplace
if cost(s)<pBest(best,D+1) then best=s; end;
costBest(run, evalNb)=pBest(best,D+1); // Sauvegarde le meilleur
// résultat courant
end // Fin boucle sur les particules

```

```

    if wVar==1 then
        w=w0*sqrt(1-(evalNb-S)/evalMax); // Pour diminuer l'énergie
        // des particules
    end
end // Fin boucle sur les évaluations
// Sauvegarde du résultat
if normalise==0 then
    resultBest(run, :)=pBest(best, :); // Une ligne de D coordonnées
    // par essai + le résultat
else
    for d=1 :D
        resultBest(run, d)=posMin0(d) +pBest(best,d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
    end
    resultBest(run,D+1)=pBest(best,D+1);
end
if resultBest(run,D+1)<resultBest(bestRun,D+1) then
    bestRun=run;
end
// Affichage
printf("\n Essai %i => %e",run,resultBest(run,D+1));
printf(" RANK %i",RANK);
end // Fin boucle sur les essais
printf("\nmicroPSO ");
[dummy,nb]=size(randOption);
printf("\n randOption ");
for n=1 :nb printf(" %i", randOption(1,n)); end
if randOption(1,1) >=1000 then
    printf("\n Liste cyclique de longueur %i",L);
end
printf("\nProblème %i, dimension %i",pb,D);
printf("\n Taille de l'essai %i",S);
if wVar==0 then printf("\n Coefficient d'inertie constant = %f",w0);
else printf("\n Coefficient d'inertie décroissant à partir de %f",w0);
end
printf("\nCoefficients de confiance %f et %f",cMin,cMax);
printf("\n %i essais de %i évaluations",runMax,evalMax);
printf("\n =>");
printf("\n Minimum : %e",min(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Moyenne %e",mean(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Écart-type : %e",stdev(costBest( :,evalMax)));
printf("\n Médiane : %e",median(costBest( :,evalMax)));
if tracePos==1 then
    [resultBest,costBest, positions,bestRun]=...
    resume(resultBest,costBest,positions,bestRun);
else
    [resultBest,costBest, bestRun]=...
    resume(resultBest,costBest,bestRun);
end
endfunction

```

### 13.9. Problèmes

Un problème est défini par :

- sa dimension  $D$  ;
- son espace de recherche, qui est un  $D$ -rectangle (sauf pour les problèmes combinatoires) ;
- éventuellement, pour certaines des dimensions, la liste des valeurs discrètes possibles ;
- une méthode pouvant assigner une valeur numérique à chaque point de l'espace de recherche.

Par ailleurs, dans certains cas, en particulier quand on veut estimer un taux de réussite, on donne une valeur minimale à atteindre et un seuil de tolérance. Enfin, parfois, il peut être utile de normaliser l'espace de recherche, en particulier si celui-ci n'est pas un  $D$ -cube et que l'algorithme fait usage de  $D$ -sphères.

#### 13.9.1. Définitions des problèmes

```
//----- Choix du problème
function [D,posMin,posMax, quantis,normalise]=pbDef(pb0 )
    normalise=0;
    global distances // Pour les problèmes "Voyageur de commerce"
    global knownPos // Pour initialisation par no man's land
    select pb0
    case 2 // Rosenbrock pour différentes dimensions
        D=2; pb=2;
    case 203
        D=3; pb=2;
    case 204
        D=4, pb=2;
    case 210
        D=10, pb=2;
    case 3 // Alpine, pour différentes dimensions
        D=2; pb=3;
    case 310
        D=10; pb=3;
    case -310
        D=2;
    case 10 // Sphère
        D=30; pb=10;
    case 102
        D=2, pb=10;
    else
        pb=pb0;
    end
    select pb
        // Trompeuse 3
    case -4
```

```
D=2 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=10*ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Trompeuse 2
case -3
D=1 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=10*ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Trompeuse 1
case -2
D=1 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Trompeuse 11
case -21
D=1 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Plateau
case -1
D=2 ;
posMin=[-1,-1] ;
posMax=-posMin ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Racine Carrée
case 0
D=1 ;
posMin(1)=0 ;
posMax(1)=1 ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Rosenbrock
case 2
// D=4 ;
posMin=-100*ones(1,D) ;
posMax=-posMin ;
quantis=zeros(1,D) ;
// Alpine
case 3
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=4*D*ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
case 4 // Enceinte sous pression
// Solution (1.125,0.625,58.290155,43.692656) => 7197.72893
D=4 ;
posMin=[1.125,0.625,0,0] ;
posMax=[12.5,12.5,240,240] ;
quantis=[0.0625,0.0625,0,0] ;
normalise=1 ;
case 5 // Tripod
D=2 ;
```

```
posMin=[-100,-100] ;
posMax=-posMin ;
quantis=zeros(1,D) ;
case 10 // Paraboloïde (Sphère)
//D=30 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=100*ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
case 11 // Minimisation d'un potentiel pour initialisation
// par No man's land
// Attention : répéter ici les éléments du problème
// réellement à résoudre
D=2 ;
posMin=zeros(1,D) ;
posMax=ones(1,D) ;
quantis=zeros(1,D) ;
case 12 // Train d'engrenages
D=4 ;
posMin=12*ones(1 :D) ;
posMax=60*ones(1 :D) ;
quantis=ones(1 :D) ;
// Pour les codes > 1000, le problème est combinatoire
case 1001 // Voyageur de commerce, 6 villes
// [ 1,6,2,3,4,5] => 20
// Note : pour ce petit exemple, la matrice des distances
// est directement codée ici
D=6 ;
posMin=ones(1,D) ;
posMax=D*ones(1,D) ;
quantis=ones(1,D) ;
I=1000 ; // Grande valeur arbitraire
distances=[0,9, I, I,3,5 ;
9, 0,5, I, I,4 ;
I, 5, 0,2, I,8 ;
I, I, 2, 0,1,7 ;
3, I, I, 1, 0, 5 ;
5, 4, 8, 7, 5,0] ;
case 1002 // Voyageur de commerce, 14 villes
// [1,2,14,3,4,5,6,12,7,13,8,11,9,10]=> 3323
[ftsp,err]=mopen("burma14.tsp","r") ;
if err~=0 then error("Impossible d'ouvrir le fichier burma14.tsp") ; end
// Lit la dimension
D=mfscanf(ftsp,"%i") ;
posMin=ones(1,D) ;
posMax=D*ones(1,D) ;
quantis=ones(1,D) ;
printf("\n Burma 14") ;
// Lit la matrice contenant des données. Pour chaque ligne
// numéro du nœud, latitude, longitude
nodes=mfscanf(D,ftsp,"%i %lg %lg") ;
printf("\n Construction de la matrice des distances. Un peu de patience, SVP") ;
// Chaque donnée est sous la forme <degré>.<minute>
for d=1 :D
    lat=nodes(d,2) ; long=nodes(d,3) ;
```



```

    degr(1)=floor(lat); degr(2)=floor(long);
    minute(1)=lat-degr(1); minute(2)=long-degr(2);
    latitude(d) = %pi*(degr(1)+5*minute(1)/3)/180;
    longitude(d) = %pi*(degr(2)+5*minute(2)/3)/180;
end
distances=[];
R=6378.388; // Rayon moyen de la terre dans cette région
for n1=1 :D-1
    for n2=n1+1 :D
        q(1)=cos( longitude(n1) -longitude(n2) );
        q(2)=cos( latitude(n1) -latitude(n2) );
        q(3)=cos( latitude(n1) +latitude(n2) );
        z=R*acos (0.5*((1+q(1))*q(2)-(1-q(1))*q(3)))+1;
        distances(n1,n2)=floor(z);
    end
end
// Symétrisation
for n1=2 :D
    for n2=1 :n1-1
        distances(n1,n2)=distances(n2,n1);
    end
end
// Annulation de la diagonale
for n1=1 :D distances(n1,n1)=0; end
printf("\n La matrice est construite");
mclose(ftsp);
//-----
else
    "Attention, code problème faux"
    abort;
end
// Si espace de recherche normalisé, on normalise aussi la discrétisation
if normalise>0 then
    for d=1 :D
        quantis(1,d)=quantis(d)/(posMax(d)-posMin(d));
    end
    printf("\n Espace de recherche normalisé");
end
endfunction
//----- Cout d'une position, selon le problème
function f=pbEval(pb0,position0,posMin0,posMax0,normalise);
    // "position" est censé être un vecteur-ligne [1,D]
    // mais on teste par précaution
    [n1,n2]=size(position0);
    D=max(n1,n2)
    I= 1000; //%inf; pour Voyageur de commerce
    if normalise==0 then
        position=position0;
    else
        for d=1 :D
            position(1,d)=posMin0(d)+position0(d)*(posMax0(d)-posMin0(d));
        end
    end
end
select pb0

```

```
case 2 // Rosenbrock pour différentes dimensions
  D=2; pb=2;
case 203
  D=3; pb=2;
case 204
  D=4, pb=2;
case 210
  D=10, pb=2;
case 3 // Alpine, pour différentes dimensions
  D=2; pb=3;
case 310
  D=10; pb=3;
case 10 // Sphère
  D=30; pb=10;
case 102
  D=2, pb=10;
else
  pb=pb0;
end
select pb
  // Trompeuse 3
case -4
  c1=10; c2=1;
  f=0;
  for d=1 :D
    xs=position(1,d)-d;
    f=f+abs(xs*sin(c1*xs))+abs(xs)/c1;
  end
  f=min(f,c2);
  // Trompeuse 2
case -3
  c1=10;
  c2=1;
  u=position(1);
  f=1+sin(c1*u) +u/c1;
  f=min(f,c2);
  // Trompeuse 11
case -21
  c1=0.2;
  c2=0.5;
  u=position(1);
  if u<=c1 then f=u/c1;
  else
    if u<=2*c1 then
      f=1+(c2-1)*(u-c1)/c1;
    else
      f=c2;
    end
  end
  // Trompeuse 1
case -2
  c1=0.1;
  c2=0.5;
  u1=position(1);
```

```

if u1<2*c1 | u1>5*c1 then f=c2;
else
  u2=u1-2*c1;
  if u2<=c1 then f=c2*(1-u2/c1);
  else
    u3=u1-3*c1;
    if u3<c1 then f=u3/c1;
    else
      u4=u1-4*c1;
      f=1-c2*u4/c1;
    end
  end
end
// Plateau (impossible)
case -1
  f=1;
  // Racine carrée
case 0
  f=sqrt(position(1));
  // Rosenbrock
case 2
  f=rosenbrock(position);
  // Alpine
case 3
  f=alpine(position,1);
  // Enceinte sous pression
case 4
  target=7197.72893;
  x1=position(1);
  x2=position(2);
  x3=position(3);
  x4=position(4);
  f=0.6224*x1*x3*x4 + 1.7781*x2*x3*x3 + 3.1611*x1*x1*x4 + 19.84*x1*x1*x3;
  // Contraintes
  ff1=0.0193*x3-x1;
  ff2=0.00954*x3-x2;
  ff3=750*1728-%pi*x3*x3*(x4+(4/3)*x3);
  // Pénalités
  if ff1>0 then f = f + 1e6; end
  if ff2>0 then f = f + 1e6; end
  if ff3>0 then f = f + 1e6; end
  f=abs(f-target);
case 5 // Tripod
  x1 = position(1);
  x2 = position(2);
  s11 = (1.0 - sign (x1)) / 2;
  s12 = (1.0 + sign (x1)) / 2;
  s21 = (1.0 - sign (x2)) / 2;
  s22 = (1.0 + sign (x2)) / 2;
  //f = s21 * (fabs (x1) - x2); // Solution en (0,0)
  f = s21 * (abs (x1) +abs(x2+50)); // Solution en (0,-50)
  f = f + s22 * (s11 * (1 + abs (x1 + 50) + ...
  abs (x2 - 50)) + s12 * (2 + abs (x1 - 50) + abs (x2 - 50)));
case 10 // Sphere

```

```

f=0;
for d=1 :D
    f=f+(position(d) -d)^2;
end
case 11 // Potentiel (pour initialiser une position dans un no man's land
// Attention, knownPos est une variable globale
f=potential(position,knownPos, posMin, posMax);
case 12 // Train d'engrenages
target=2.7e-12;
//epsilon=1.e-13;
a=6.931; b=2;
f=(1/a -position(1)*position(2)/(position(3)*position(4)))^b;
f=abs(f-target); // Erreur
// Pour les codes > 1000, le problème est combinatoire
case 1001 // Voyageur de commerce, D=6
// La matrice des distances a été définie dans pbDef()
// et est passée en tant que variable globale
target=0; // En fait le minimum est 20
// La position est une permutation
f=distances(position(D), position(1));
for d=1 :D-1
    f=f+distances(position(d),position(d+1));
end
f=f-target; // Erreur
case 1002 // Voyageur de commerce
target=0; // En fait le minimum est 3323
f=distances(position(D), position(1));
for d=1 :D-1
    f=f+distances(position(d),position(d+1));
end
f=f-target; // Erreur
end
endfunction
//----- Rosenbrock
function f=rosenbrock(position)
[dummy,D]=size(position);
f = 0;
// t0 = position(1) + 1; // Solution on (0,...0) when offset=0
target=0;
t0=position(1); // Solution on (1,...,1)
for d=2 :D
    // t1 = position(d) + 1;
    t1 = position(d);
    tt = 1 - t0;
    f=f+ tt * tt;
    tt = t1 - t0 * t0;
    f = f+100 * tt * tt;
    t0 = t1;
end
endfunction
//----- Alpine
// shiftXY : décalage, pour que le minimum ne soit pas en (0,...0)
// Si shift=1, le minimum est x*=(1,2, ..; D), avec f(x*)=0
function f=alpine(x, shiftXY)

```

```

[dummy,D]=size(x);
f=0;
for d=1 :D
    xs=x(d)-d*shiftXY;
    f=f+abs(xs*sin(xs))+0.1*abs(xs);
end
endfunction
//----- Potentiel
function f=potential(pos,knownPos,posMin,posMax)
// Calcule le « potentiel » d'une position en fonction de positions connues
// et de la « boîte » espace de recherche
infinity=10^20;
[dummy,D]=size(posMin); // Dimension
[S,dummy]=size(knownPos); // Nombre d'autres positions (peut être nul)
// Potentiel par rapport aux coins de la boîte
// p1=distCorner(pos,posMin,posMax);
// Potentiel par rapport aux faces de la boîte
// p1=distFace(pos,posMin,posMax)
// Attraction par le centre
// ATTENTION, on suppose que l'espace de recherche est un D-cube
// (le plus simple est de positionner normalise=1
// dans la définition du problème)
distMax=0.5*(posMax(1)-posMin(1));
centre=0.5*(posMin + posMax);
//distCentre=distance1(pos,centre);
distCentre=distance(pos,centre);
if distCentre>=distMax then
    p1=infinity;
else
    p1=1/(distMax-distCentre) -1/distMax;
    p1=D*p1;
end
// Potentiel par rapport aux autres positions
p2=0;
if S>0 then
    for s=1 :S
        //dist=distance1(pos,knownPos(s, :));
        dist=distance(pos,knownPos(s, :));
        if dist<%eps the d2=infinity;
        else p2=p2+1/dist;
        end
    end
end
f=p1+p2;
endfunction
function p1=distCorner(pos,posMin,posMax)
// Calcul le potentiel en fonction des distances aux coins
// Attention, peut être TRÈS long quand la dimension D augmente :
// y a 2^D coins!
infinity=10^20;
[dummy,D]=size(posMin);
nCorner=2^D;
p1=0;
for n=1 :nCorner

```

```

bin=dec2bin(n-1); // Conversion en chaine de caractères binaires
lBin=length(bin); // Au plus D
// Extraction des bits et transformation en min ou max
posB=posMin;
for l=1 :lBin
    if part(bin,l)=="1" then posB(lBin-l+1)=posMax(l); end
end
dist=distance(pos,posB);
if dist<%eps then p1=infinity;
else p1=p1+1/dist;
end
end
endfunction
function p1=distFace(pos,posMin,posMax)
// Calcule le potentiel en fonction des distances aux faces
// Il y a 2D faces
infinity=10^20;
[dummy,D]=size(posMin);
weight=1;
for d=1 :D weight=weight*(posMax(d)-posMin(d)); end
p1=0;
for d=1 :D
    dist=pos(d)-posMin(d);
    if dist<%eps then p1=infinity;
    else
        w=weight/(posMax(d)-posMin(d));
        p1=p1+w/dist;
    end
    dist=posMax(d)-pos(d);
    if dist<%eps then p1=infinity;
    else
        w=weight/(posMax(d)-posMin(d));
        p1=p1+w/dist;
    end
end
end
endfunction

```

### 13.9.2. Paysage d'un problème

```

//----- // Paysage d'un problème 1D
function plotPb1D (pb,nx)
    [D,posMin, posMax, quantis,normalise]=pbDef(pb );
    X=linspace(posMin(1),posMax(1),nx) ;
    for n=1 :nx
        Y(n)=pbEval (pb,X(n),posMin,posMax,normalise) ;
    end
    scf() ;
    plot2d(X,Y,style=2) ;
    xtitle(" ","Position","Valeur") ;
endfunction
//----- Paysage d'un problème 2D
function plotPb2D (pb,nx,ny)

```

```

clear X ;
clear Y ;
clear Z ;
[D,posMin,posMax,quantis,normalise]=pbDef(pb) ;
X=linspace(posMin(1,1),posMax(1,1),nx) ;
Y=linspace(posMin(1,2),posMax(1,2),ny) ;
for m=1 :nx
    for n=1 :ny
        pos=[X(m),Y(n)] ;
        Z(m,n)=pbEval(pb,pos,posMin,posMax,normalise) ;
    end
end
scf() ; // Nouvelle fenêtre graphique
plot3d1(X,Y,Z) ;
ax=gca() ;
ax.cube_scaling="on" ;
ax.z_label.font_angle=270 ;
xtitle("", "x", "y", "Valeur") ;
fig=gcf() ;
fig.color_map=pinkcolormap(32) ;
pl=ax.children ;
pl.thickness=0 ;
endfunction

```

### 13.10. Traitements des résultats

Chaque optimiseur, exécuté un certain nombre de fois, génère des résultats qui sont stockés dans le tableau `costBest`. On peut traiter ces résultats pour en déduire des indicateurs de performance, tenant éventuellement compte d'une fonction de qualité, à définir par l'utilisateur.

C'est aussi à partir de ces résultats bruts que l'on peut construire un Eff-Rés, en particulier pour calculer des indicateurs de performance globaux.

#### 13.10.1. *Qualité* (y.c. courbes)

```

// ----- Qualité d'un résultat
function q=qualityResult(u,alpha,epsilon)
// Attention, ici u est le résultat normalisé r/rMax
// et, donc, le epsilon doit être en fait celui donné par l'utilisateur,
// divisé par rMax
if u<epsilon then
    q=1-0.5*(u/epsilon)^alpha ;
else
    v=(u-epsilon)/(1-epsilon) ;
    b=(1-epsilon)*alpha/(2*epsilon) ;
    q=0.5*(1-v)^b ;
end

```

```

endfunction
//----- Qualité versus résultat normalisé
function plotQualityResult (alpha,epsilon)
    nuMax=100 ;
    u=linspace(0,1,nuMax) ;
    for nu=1 :nuMax
        q(nu)=qualityResult(u(nu),alpha,epsilon) ;
    end
    scf() ;
    plot2d(u,q, style=2) ;
    xtitle(" ", "Résultat normalisé", "Qualité") ;
endfunction
// ----- Qualité versus résultat normalisé, 3 courbes
function plot3QualityResult(epsilon)
    nuMax=100 ;
    u=linspace(0,1,nuMax) ;
    for nu=1 :nuMax
        q1(nu)=qualityResult(u(nu),2,epsilon) ;
        // (modifier éventuellement) les valeurs de alpha
        q2(nu)=qualityResult(u(nu),8,epsilon) ;
        q3(nu)=qualityResult(u(nu),100,epsilon) ;
    end
    scf() ;
    plot2d(u,[q1,q2,q3], style=[2,3,5]) ;
    xtitle(" ", "Résultat normalisé", "Qualité") ;
    legends(["2";"8";"100"],[2,3,5],1) ; // Modifier la légende
endfunction

```

### 13.10.2. Critères divers (y.c. courbes)

```

//--- Évolution des résultats en fonction du nombre d'évaluations,
//    pour un essai donné
function plotResult(costBest,run)
    [runMax,phiMax]=size(costBest) ;
    absc=linspace(1,phiMax,phiMax) ;
    scf() ;
    plot2d(absc,costBest(run, :),style=2) ;
    xtitle(" ", "Nombre d'évaluations", "Résultat") ;
endfunction
//---- Évolution du résultat moyen en fonction de l'effort
function plotMeanResultEffort(costBest)
    // Attention, on suppose que tous les essais ont la même population
    // et le même nombre d'évaluations.
    [runMax,phiMax]=size(costBest) ;
    absc=linspace(1,phiMax,phiMax) ;
    for phi=1 :phiMax
        meanResultEffort(phi)=mean(costBest(:,phi)) ;
    end
    scf() ;
    plot2d(absc,meanResultEffort,style=2) ;
    xtitle(" ", "Effort", "Résultat moyen") ;
    [absc,meanResultEffort]=resume(absc,meanResultEffort) ;

```



```

endfunction
/-- Évolution du résultat médian en fonction de l'effort
function plotMedianResultEffort(costBest)
// Attention, on suppose que tous les essais ont la même population
// et le même nombre d'évaluations.
[runMax,phiMax]=size(costBest);
absc=linspace(1,phiMax,phiMax);
for phi=1 :phiMax
    medianResultEffort(phi)=median(costBest( :,phi));
end
scf();
plot2d(absc,medianResultEffort,style=2);
xlabel(" ", "Effort", "Résultat médian");
[absc,medianResultEffort]=resume(absc,medianResultEffort)
endfunction
/----- Évolution du résultat moyen en fonction du nombre d'essais
function plotMeanResultRuns(costBest)
[runMax, phiMax]=size(costBest);
clear meanResultRun;
clear absc;
for run=1 :runMax
    meanResultRun(run)=mean(costBest(1 :run,phiMax));
        // Le meilleur résultat de l'essai est pour l'effort maximum
    absc(run)=run;
end
scf();
plot2d(absc,meanResultRun,style=2);
xlabel(" ", "Nombre d'essais", "Résultat moyen");
[absc,meanResultRun]=resume(absc,meanResultRun);
endfunction
/------- Évolution du résultat médian en fonction du nombre d'essais
function plotMedianResultRuns(costBest)
[runMax, phiMax]=size(costBest);
clear medianResultRun;
clear absc;
for run=1 :runMax
    absc(run)=run;
    medianResultRun(run)=median(costBest(1 :run,phiMax));
end
scf();
plot2d(absc,medianResultRun,style=2);
xlabel(" ", "Nombre d'essais", "Résultat médian");
[absc,medianResultRun]=resume(absc,medianResultRun);
endfunction
/------- Taux de réussite versus Nombre d'essais, pour un effort donné
function plotSuccessRate(costBest, phi, epsilon)
// Attention, phi est un rang dans la liste des efforts
// Mais si, comme c'est souvent le cas, l'effort est un
// nombre d'évaluations à partir de 1, c'est aussi
// la valeur même de cet effort
// Exemple : plotSuccessRate(costBest,50,20.1)
[runMax,phiMax]=size(costBest);
absc=linspace(1,runMax,runMax);
if costBest(1,phi)<epsilon then sr(1)=1; else sr(1)=0; end

```

```

for n=2 :runMax
    if costBest(n,phi)<epsilon then
        sr(n)=sr(n-1)+1;
    else
        sr(n)=sr(n-1);
    end
end
end
for n=2 :runMax
    sr(n)=sr(n)/n;
end
rMin=floor(0.9*runMax);
printf("\n Taux de réussite moyen sur les essais %i à %i : %f",...
    rMin,runMax,mean(sr(rMin :runMax)));
scf();
plot2d(absc,sr,style=2);
xlabel(" ", "Nombre d'essais", "Taux de réussite");
[absc,sr]=resume(absc,sr);
endfunction
// Taux de réussite généralisé versus Nombre d'essais, pour un effort donné
function plotSuccessRateAlpha(costBest,phi,epsilon, alpha)
    [runMax,phiMax]=size(costBest);
    absc=linspace(1,runMax,runMax);
    rMax=max(costBest);
    eps=epsilon/rMax;
    u=costBest(1,phi)/rMax;
    sr(1)=qualityResult(u,alpha,eps);
    for n=2 :runMax
        u=costBest(n,phi)/rMax;
        sr(n)=sr(n-1)+qualityResult(u,alpha,eps);
    end
    for n=2 :runMax
        sr(n)=sr(n)/n;
    end
    scf();
    plot2d(absc,sr,style=2);
    xlabel(" ", "Nombre d'essais", "Taux de réussite généralisé");
    [absc,srAlpha]=resume(absc,sr);
endfunction
//----- Taux de réussite généralisé moyen versus effort
function plotSuccessRateEffAlpha(costBest,epsilon,alpha)
    [runMax,phiMax]=size(costBest);
    rMax=max(costBest);
    eps=epsilon/rMax;
    for phi=1 :phiMax
        for run=1 :runMax
            u=costBest(run,phi)/rMax;
            sr(run)=qualityResult(u,alpha,eps);
        end
        srMean(phi)=mean(sr);
        absc(phi)=phi;
    end
    scf();
    plot2d(absc,srMean,style=2);
    xlabel(" ", "Effort", "Taux de réussite généralisé moyen");

```

```

    [absc,srMean]=resume(absc,srMean);
endfunction
//----- Qualité globale, à partir des données brutes
function Q=globalQuality(costBest,alpha,epsilon)
// Attention, on suppose ici que les efforts sont 1,2,...,ny
[nRun, ny]=size(costBest);
rMax=max(costBest);
eps=epsilon/rMax;
Q=0;
for run=1 :nRun
    for phi=1 :ny
        // qualité(résultat) * effort
        Q=Q+qualityResult(costBest(run,phi)/rMax,alpha,eps)*phi;
    end
end
sumPhi=0.5*ny*(ny+1);
Q=Q/(nRun*sumPhi);
//disp(Q, "Qualité moyenne globale");
Q=resume(Q);
endfunction
//----- Qualité globale versus epsilon
function plotGlobalQuality(costBest, alpha,epsilonMax)
epsMax=100;
epsilon=linspace(min(costBest),epsilonMax,epsMax);
for e=2 :epsMax
    q(e-1)=globalQuality(costBest,alpha,epsilon(e));
    disp([q(e-1),e]);
end
scf();
plot2d(epsilon(2 :epsMax),q,style=2);
xtitle(" ", "epsilon", "Qualité globale");
[epsilon,q]=resume(epsilon,q);
endfunction
//---- Efficacité normalisée globale, à partir des données brutes
function globalEffic(costBest)
// Attention, on suppose que les efforts vont de 1 en 1
[runMax, ny]=size(costBest);
rMax=max(costBest);
for phi=1 :ny
    meanr=mean(costBest(:,phi));
    effic(phi)=1-meanr/rMax;
end
EFF=mean(effic)
disp(EFF, "Efficacité moyenne globale normalisée");
EFF=resume(EFF);
endfunction

```

### 13.10.3. Construction d'un Eff-Rés

```

//----- Construction de l'Eff-Rés (X,Y,Z)
function [X,Y,Z]=effRes(costBest,nx,rMax)
// X = résultats, Y = efforts, Z = densité de probabilité
// Attention :

```

```

// - les efforts vont de 1 en 1 (ce sont des nombres d'évaluations)
// - l'effort minimum est 1
// - le résultat minimum est supposé être 0
// La matrice costBest contient une ligne par essai
// et une colonne par nombre d'évaluations
// nx = nombre de divisions de l'intervalle des résultats
// Exemple :
// [X,Y,Z]=effRes(costBest,100,1) ; // N'oubliez-pas le point-virgule !
clear X;
clear Y;
clear Z;
[runMax,ny]=size(costBest) ;
//rMax=max(costBest) ;
X=linspace(0,rMax,nx) ; // Définition des classes de résultats
Y=linspace(1,ny,ny) ; // On ne traite ici que ce cas particulier
// Dans le cas général, on aurait des classes d'effort
// contenant plus d'un élément.
// Dans le cas continu, la valeur minimale serait zéro.
// Attention, dans ce cas, le calcul du cout médian d'un effort
// peut donner 0.
Z=zeros(nx,ny) ;
// Affectation des résultats dans les "cellules" de Z
for run=1 :runMax
    for phi=1 :ny
        r=costBest(run, hi) ;
        if r<=rMax then
            rRank=1+floor((nx-1)*r/rMax) ;
            Z(rRank,phi)=Z(rRank,phi)+1 ;
        end
    end
end
// Normalisation
dX=X(2)-X(1) ;
dY=Y(2)-Y(1) ; // Juste pour le cas où les classes d'effort
// contiennent plus d'un élément
sumZ=sum(Z)*dX*dY ;
if sumZ>0 then
    Z=Z/sumZ ;
else
error("Toutes les densités sont nulles. Revoir nx et rMax") ;
end
[X,Y,Z]=resume(X,Y,Z) ;
endfunction
//----- Test de validité de l'Eff-Rés
// et, si nécessaire, recherche dichotomique du
// nombre optimum d'intervalles de résultats
function effResDicho(costBest,rMax,X0,Y0,Z0)
    [nx,ny]=size(Z0) ;
    nxInf=1 ;
    nxSup=nx ;
    nxMid=floor(0.5*(nx+1)) ;
    while (nxSup-nxInf)>1

```

```

disp(nxMid,"Nouvel nx");
[X,Y,Z]=effRes(costBest, nxMid, rMax);
OK=1;
for r=1 :nxMid
    if sum(Z(r, :))<=0 then OK=0; break; end
end
if OK==0 then
    nxSup=nxMid;
    nxMid=floor(0.5*(nxInf+nxMid));
else
    nxInf=nxMid;
    nxMid=floor(0.5*(nxMid+nxSup));
end
end
if OK==0 then
    [X,Y,Z]=effRes(costBest, nxMid-1, rMax);
end
[X,Y,Z]=resume(X,Y,Z);
endfunction

```

### 13.11. Traitements d'un Eff-Rés

L'objet Eff-Rés peut utilement être représenté graphiquement. Il permet aussi d'estimer des valeurs d'indicateurs de performance. Certains de ces indicateurs ont pu également être estimés à partir des résultats bruts. En elle-même, une différence entre les deux estimations est généralement un signe que le nombre d'essais n'a pas été suffisant pour construire une densité de probabilité relativement correcte. À la rigueur, on peut la reconstruire par interpolation, mais cela ne devrait être fait qu'en dernier recours, si vraiment il n'est pas possible de produire des résultats plus complets.

#### 13.11.1. Représentation graphique

```

// ----- Affichage 3D d'un Eff-Rés
function plotEffRes(X,Y,Z)
    scf(); // Nouvelle fenêtre graphique
    plot3d1(X,Y,Z);
    ax=gca();
    ax.cube_scaling="on";
    ax.z_label.font_angle=270;
    xtitle("","Résultat","Effort","Densité de probabilité");
    fig=gcf();
    fig.color_map=pinkcolormap(32);
    pl=ax.children;
    pl.thickness=0;
endfunction

```

### 13.11.2. Interpolation

```
//----- Interpolation d'un Eff-Rés
function Z1=EffResInterpol(X,Y,Z)
// On remplit les cases vides (densité zéro) en faisant la moyenne
// des valeurs non nulles les plus proches
// Attention, cela peut être TRÈS long
// À utiliser avec prudence, en particulier pour les fonctions multimodales
// Il est conseillé de lancer plotEffRes(X,Y,Z1), pour voir si l'Eff-Rés
// obtenu semble "plausible".
[nx,ny]=size(Z) ;
for r=1 :nx
  for phi=1 :ny
    if Z(r,phi)>0 then Z1(r,phi)=Z(r,phi) ;
    else
      neighb=0 ;
      clear ZZ ;
      // On recrute les cases non vides les plus proches
      if r>1 then
        r1=r-1 ;
        while r1>0 & Z(r1,phi)<=0 then r1=r1-1 ; end
        if r1>0 then
          neighb=neighb+1 ;
          ZZ(neighb)=Z(r1,phi) ;
        end
      end
      if r<nx then
        r1=r+1 ;
        while r1<=nx & Z(r1,phi)<=0 then r1=r1+1 ; end
        if r1<=nx then
          neighb=neighb+1 ;
          ZZ(neighb)=Z(r1,phi) ;
        end
      end
      if phi>1 then
        phi1=phi-1 ;
        while phi1>0 & Z(r,phi1)<=0 then phi1=phi1-1 ; end
        if phi1>0 then
          neighb=neighb+1 ;
          ZZ(neighb)=Z(r,phi1) ;
        end
      end
      if phi<ny then
        phi1=phi+1 ;
        while phi1<=ny & Z(r,phi1)<=0 then phi1=phi1+1 ; end
        if phi1<=ny then
          neighb=neighb+1 ;
          ZZ(neighb)=Z(r,phi1) ;
        end
      end
      if neighb==0 then Z1(r,phi)=0 ;
      else Z1(r,phi)=mean(ZZ) ; end
    end
  end
end
```

```

        //if neighb==0 then disp(phi,"phi",r,"r",Z1(r,phi),"Z"); end
    end // end of "if Z(r,phi)>0
end // end of "for phi
end // end of "for r
// Renormalisation
dX=X(2)-X(1);
dY=Y(2)-Y(1);
Z1=Z1/(dX+dY*sum(Z1));
//plotEffRes(X,Y,Z1);
[X,Y,Z1]=resume(X,Y,Z1);
endfunction

```

### 13.11.3. Critères de performance (y.c. courbes)

```

// Distribution de probabilités des résultats pour un effort donné phi
function plotProbaDensityResult(phi,X,Y,Z)
// Attention :
// phi est en fait le rang dans la liste des efforts
// (d'ailleurs effectivement égal à l'effort, si la liste va de 1 en 1)
[nx,ny]=size(Z);
dX=X(2)-X(1);
sumr=sum(Z(:,phi))*dX;
pr=Z(:,phi)/sumr;
scf();
plot2d(X,pr,style=2);
xlabel(" ", "Résultat", "Densité de probabilité");
pr=resume(pr);
endfunction
// ---- Probabilités des résultats pour un effort donné phi
function plotProbaResult(phi,X,Z)
// (fonction de répartition)
// Note : pour chaque r, on considère la probabilité
// d'avoir un résultat inférieur ou égal
// Attention, phi est supposé être un nombre d'évaluations
[nx,ny]=size(Z);
sumr=sum(Z(:,phi));
pr=Z(:,phi)/sumr;
for r=2 :nx
    pr(r)=pr(r-1)+pr(r);
end
scf();
plot2d(X,pr,style=2);
xlabel(" ", "Résultat", "Probabilité");
pr=resume(pr);
endfunction
//---- Distribution de probabilité des efforts pour un résultat donné r
function plotProbaDensityEffort(r,Y,Z)
// Attention : r est le _rang_ du résultat dans la liste X des résultats
[nx,ny]=size(Z);
dY=Y(2)-Y(1);
for phi=1 :ny
    pr(phi)=Z(r,Y(phi));

```

```

end
sumpr=sum(pr)*dY;
pr=pr/sumpr;
scf();
plot2d(Y,pr,style=2);
xtitle(" ","Effort","Densité de probabilité");
pr=resume(pr);
endfunction
//----- Probabilité des efforts pour un résultat égal à r
function plotProbaEffort(r,Y,Z)
// Attention : r est le _rang_ du résultat dans la liste X des résultats
[nx,ny]=size(Z);
for phi=1 :ny
    pr(phi)=Z(r,Y(phi));
end
for phi=2 :ny
    pr(phi)=pr(phi-1)+pr(phi);
end
pr=pr/pr(ny);
scf();
plot2d(Y,pr,style=2);
xtitle(" ","Effort","Probabilité");
pr=resume(pr);
endfunction
// - Probabilités des efforts pour un résultat donné inférieur ou égal à r
function plotProbaEffort2(r,Y,Z)
// (fonction de répartition)
// Attention : r est le _rang_ du résultat dans la liste X des résultats
[nx,ny]=size(Z);
dX=X(2)-X(1);
for phi=1 :ny
    pr(phi)=sum(Z(1 :r,Y(phi)))*dX;
end
for r=2 :nx
    pr(r)=pr(r-1)+pr(r);
end
scf();
plot2d(Y,pr,style=2);
xtitle(" ","Effort","Probabilité");
pr=resume(pr);
endfunction
// ----- Cout moyen versus résultat r
function plotMeanCostResult(X,Y,Z)
// Attention, on suppose que aucun sum(Z(r,1 :ny)) n'est nul
// voir effResDicho()
[nx,ny]=size(Z);
for r=1 :nx
    meanc(r)=Y*Z(r, :)/sum(Z(r, :));
end
scf();
plot2d(X,meanc,style=2);
xtitle(" ","Résultat","Cout moyen");
meanc=resume(meanc);
//----- Qualité globale, à partir de l'Eff-Rés

```



```

function globalQualityEffRes(X,Y,Z,alpha,epsilon)
    [nx,ny]=size(Z);
    dX=X(2)-X(1);
    dY=Y(2)-Y(1);
    rMax=X(nx);
    eps=epsilon/rMax;
    Q=0;
    sumPhi=0;
    for phi=1 :ny // Pour chaque effort ...
        m=0;
        // ... résultat moyen
        for r=1 :nx-1
            // Quand on a créé l'Eff-Rés,
            // le nombre de résultats dans cette classe était Z(r,phi)*dX*dY
            result=0.5*(X(r)+X(r+1));
            q=qualityResult(result/rMax,alpha,eps);
            m=m+q*Z(r,phi);
        end
        Q=Q+m*Y(phi);
        sumPhi=sumPhi+Y(phi)*sum(Z(1 :nx-1,phi));
    end
    Q=Q/sumPhi;
    disp(Q, "Qualité moyenne globale, à partir de l'Eff-Rés");
    Q=resume(Q);
endfunction
//----- Efficacité normalisée globale, à partir de l'Eff-Rés
function globalEfficEffRes(X,Y,Z)
    [nx,ny]=size(Z);
    // Attention, on suppose que les efforts vont de 1 en 1
    // donc que Y(phi)=phi et que l'Eff-Rés est « complet »
    // (pour chaque effort, il y a au moins un résultat)
    dY=Y(2)-Y(1);
    ind=0;
    for phi=1 :ny
        effic(phi)=1-X*Z(:,phi)/sum(Z(:,phi));
    end
    EFF=sum(effic)*dY/(Y(ny)-Y(1));
    disp(EFF,"Efficacité moyenne globale normalisée");
    EFF=resume(EFF);
endfunction
// ----- Cout moyen versus résultat <=r
function plotMeanCostResultInf(X,Y,Z)
    // Attention : le temps de calcul est assez long
    [nx,ny]=size(Z);
    for r=1 :nx
        meancinf(r)=0;
        sumcr=0;
        for rinf=1 :r
            for phi=1 :ny
                meancinf(r)=meancinf(r)+Y(phi)*Z(rinf,phi);
            end
            sumcr=sumcr+sum(Z(rinf,1 :ny));
        end
        if sumcr>0 then

```

```

    meancinf(r)=meancinf(r)/sumcr;
else
    meancinf(r)=[]; //Y(ny);
    // Attention, dans ce cas, c'est que l'échantillonnage
    // n'est pas assez fin.
    // On peut aussi, par défaut, mettre l'effort maximum,
    // mais ce peut être en fait n'importe quelle valeur encore plus grande.
end
end
scf();
plot2d(X,meancinf,style=2);
xtitle(" ", "Résultat", "Cout moyen pour <= Résultat");
meancinf=resume(meancinf);
endfunction
//----- Efficacité normalisé versus effort
function efficEff(X,Y,Z)
    [nx,ny]=size(Z);
    for phi=1 :ny
        effic(phi)=1-X*Z( :,phi)/sum(Z( :,phi));
    end
    scf();
    plot2d(Y,effic,style=2);
    xtitle(" ", "Effort", "Efficacité normalisée");
    effic=resume(effic);
endfunction
//----- Efficacité marginale versus effort
function efficMarg(X,Y,Z)
    [nx,ny]=size(Z);
    dY=Y(2)-Y(1);
    for phi=1 :ny
        effic(phi)=1-X*Z( :,phi)/sum(Z( :,phi));
    end
    for phi=2 :ny
        efficMarg(phi-1)=(effic(phi)-effic(phi-1))/dY;
    end
    scf();
    plot2d(Y(2 :ny),efficMarg,style=2);
    xtitle(" ", "Effort", "Gain en efficacité");
    efficMarg=resume(efficMarg);
endfunction
//---- Taux de réussite généralisé versus effort, dérivé de l'Eff-Rès
function plotSuccessRateEffRes(alpha,epsilon,X,Y,Z)
    // Attention, phi est un rang dans Y
    [nx,ny]=size(Z);
    rMax=X(nx);
    eps=epsilon/rMax;
    for phi=1 :ny
        for r=1 :nx
            qp(r)=qualityResult(X(r)/rMax,alpha,eps)*Z(r,phi);
        end
        sr(phi)=sum(qp)/sum(Z( :,phi));
    end
    scf();
    plot2d(Y,sr, style=2);

```

```

    xtitle(" ","Effort","Taux de réussite");
    sr=resume(sr);
endfunction

```

### 13.12. Histogrammes, diagrammes polaires

```

//----- Test GNA, histogramme
function RNGhisto(randOption,n,nbClass,rMax)
// randOption peut être de la forme [rng,var,a,b]
// (voir alea() et aleaVar()) ou bien simplement le code rng.
// Exemples
// RNGhisto(rng,50000,100,%inf) Test d'uniformité
// RNGhisto([0,4,0,0],10000,100,%fin) Trimodale
// RNGhisto([0,5,0,1],10000,100,5) Lévy
// RNGhisto([0,8,2.94,1.01],10000,100,200) Log-normale
mini=0; maxi=200;
for i=1 :n
r(i)=alea(0,1,randOption);
end
r=gsort(r,"g","i"); // Tri par ordre croissant
// Histogramme
scf();
i=1;
while r(i)<rMax & i<n
i=i+1;
end
histplot(nbClass,r(1 :i));
a=get("current_axes");
cpd=a.children;
p=cpd.children; // Polyline
p.foreground=4; // Couleur
r=resume(r);
endfunction
//----- Test GNA, diagramme polaire
function RNGpol(randOption,n)
for i=1 :n
random(i)=alea(0,1,randOption);
end
// Diagramme polaire
// pour mettre en évidence les éventuelles régularités
scf();
absc=1 :n;
theta=2*pi*(1/n) *absc;
polarplot(theta,random,style=2);
fig=get("current_figure");
ax=fig.children;
compo=ax.children;
polyl=compo.children;
polyl.line_mode = "off";
//polyl.line_style=7; // Ligne en pointillé si line_mode="on"
polyl.mark_style=9; // Marques circulaires ...

```

```
polyl.mark_background=2; // ... en bleu
polyl.mark_foreground=2;
// Suppression des étiquettes autour du cercle
mat=ax.children;
for i=1 :2 :24
mat(i).text="";
end
[absc,random]=resume(absc,random);
endfunction
```

### 13.13. Figures diverses

```
// ----- Figure 2D d'initialisation
//                                     (sans discrétisation ni combinatoire)
posMin=[0,0];
posMax=[1,1];
function init=plotInitPos(posMin,posMax,randOption, popSize)
for i=1 :popSize
pos=initPos(posMin,posMax,randOption,[-1,-1],%F);
init(i,1)=pos(1); init(i,2)=pos(2);
end
scf();
plot2d(init(:,1),init(:,2),axesflag=2,rect=[posMin(1,1),...
      posMin(1,2),posMax(1,1),posMax(1,2)]);
a=get("current_axes");
cpd=a.children;
p=cpd.children; // Polyline
p.line_mode="off";
p.mark_mode="on";
p.mark_style=0;
p.mark_size=4;
p.mark_foreground=2;
p.mark_background=2;
endfunction
//----- Affichage des positions successives
// Note : uniquement les deux premières coordonnées
// Le tableau "positions" contient une position par ligne
function plotPos(positions)
scf();
plot2d(positions(:,1),positions(:,2),axesflag=0);
a=get("current_axes");
cpd=a.children;
p=cpd.children; // Polyline
p.line_mode="off";
p.mark_mode="on";
p.mark_style=0;
p.mark_size_unit="point";
p.mark_size=5;
p.mark_foreground=2;
p.mark_background=2;
```

```

endfunction
//----- DNPP PSO, en 2D
function dnppPSO(x,p,g,v,nbPoints,PSOtype)
  // Exemple :
  // x=[207,214] ; p=[102,294] ; g=[345,279] ; v=[350,87] ; v=v-x ;
  // dnppPSO (x,p,g,v, 1000, 0)
  select PSOtype
case 0 // SPSO
  w=0.73 ;
  c1=1.2 ;
  c2=1.2 ;
  for n=1 :nbPoints
    for d=1 :2
      depl=w*v(d)+c1*rand()*(p(d)-x(d))+c2*rand()*(g(d)-x(d)) ;
      dnpp(n,d)=depl+x(d) ;
    end
  end
case 1 // microPSO
  w=0.1 ;
  c1=0.5 ;
  c2=1.5 ;
  for n=1 :nbPoints
  for d=1 :2
    rd=c1+rand()*(c2-c1) ;
    xTemp(d)=x(d)+v(d)+rd*(g(d)-x(d)-v(d)) ;
    vTemp(d)=xTemp(d)-x(d) ;
    depl=w*v(d)+vTemp(d) ;
    dnpp(n,d)=depl+x(d) ;
  end
  end
end
X=[x;p;g] ; // Les trois positions de base
// (courante, mémorisée, meilleure informatrice)
//plotPos(dnpp) ; // Affiche les points de la distribution
xmin=min(dnpp(:,1)) ; xmin=min(xmin, min(X(:,1))) ;
ymin=min(dnpp(:,2)) ; ymin=min(ymin, min(X(:,2))) ;
xmax=max(dnpp(:,1)) ; xmax=max(xmax, max(X(:,1))) ;
ymax=max(dnpp(:,2)) ; ymax=max(ymax, max(X(:,2))) ;
extend=0.1 ;
dx=xmax-xmin ; dy=ymax-ymin ;
xmin=xmin-extend*dx ; ymin=ymin-extend*ymin ;
xmax=xmax+extend*dy ; ymax=ymax+extend*dy ;
scf() ;
plot2d(dnpp(:,1),dnpp(:,2),axesflag=0,rect=[xmin,ymin,xmax,ymax]) ;
a=get("current_axes") ;
cpd=a.children ;
pl=cpd.children ; // Polyline
pl.line_mode="off" ;
pl.mark_mode="on" ;
pl.mark_style=0 ;
pl.mark_size=0 ;
pl.mark_foreground=0 ;

```

```

pl.mark_background=2;
// Affiche les trois positions
//plot2d(X( :,1),X( :,2),style=9, axesflag=0,rect=[xmin,ymin,xmax,ymax]);
    plot2d(X( :,1),X( :,2),rect=[xmin,ymin,xmax,ymax]);
a=get("current_axes");
cpd=a.children;
cpd1=cpd(1);
pl=cpd1.children;
pl.line_mode="off";
pl.mark_mode="on";
pl.mark_style=0;
pl.mark_size=5;
pl.mark_foreground=0;
pl.mark_background=2;
dnpp=resume(dnpp);
endfunction
//----- Deux courbes
// Les titres sont à adapter à chaque cas
function plot2(C1,C2,absc)
    scf();
    [nx,dummy]=size(absc);
    plot2d(absc,[C1,C2],style=[2,3]);
    xtitle(" ", "Nombre d'évaluations", "Médiane");
    legends(["Merienne-Twister"; "ANSI C"], [2,3], 1);
endfunction
//----- Trois courbes
// Les titres sont à adapter à chaque cas
function plot3(C1,C2,C3,absc)
    scf();
    [nx,dummy]=size(absc);
    plot2d(absc,[C1,C2,C3],style=[2,3,5]);
    xtitle(" ", "Résultat", "Probabilité");
    legends(["40"; "80"; "80 aléatoire"], [2,3,5], 1);
endfunction
//----- Courbe Sphere/Cube
function plotSphereOverCube(Dmax,in)
    absc=1 :Dmax;
    select in
    case 1 // Cube de côté 1
        // Sphère inscrite, de rayon 0,5
        for d=1 :Dmax
            rate(d)=volumSphere(0.5,d)/volumCube(1,d);
        end
    case 0 // Cube de côté 1
        // Sphère exinscrite de rayon racine(d)/2
        for d=1 :Dmax
            rate(d)=volumCube(1,d)/volumSphere(0.5*sqrt(d),d);
        end
    end
    scf();
    plot2d(absc,rate,style=2);
    select in

```

```

    case 1
xtitle(" ", "Dimension", "Sphère inscrite/Cube");
    case 0
xtitle(" ", "Dimension", "Cube/Sphère exinscrite");
end
[absc,rate]=resume(absc,rate);
endfunction

```

### 13.14. Tests (biais, corrélation)

```

//----- Test de bordures pour signatures
// (normalement faites sur la fonction Plateau)
function bound=boundary(positions)
[nPoints,D]=size(positions); // D=2
bound=0;
for n=1 :nPoints
if abs(positions(n,1))>=1 | abs(positions(n,2))>=1 then
bound=bound+1;
end
end
bound=bound/nPoints;
printf("\nTaux de points sur la frontière : %f",bound);
endfunction
//----- Test de corrélation positive
function nisbAround(pb,iterMax,randOption,distanceType)
// nisbAround(1002,5000,0,0)
// Note : distanceType n'est utile qu'en cas de problème combinatoire
// 0 => Kendall-Tau
// 1 => Cayley
// nisb = nearer is better
rand("seed",123456789); // Initialisation de la graine,
// pour résultats reproductibles
[D,posMin,posMax, quantis,normalise]=pbDef(pb);
printf("\n Problème %i, dimension %i",pb,D);
if pb>1000 then combin=1;
else combin=0; end
iter=0;
betterInside=0;
while iter<iterMax
select combin
case 0 // Problème non combinatoire
// On tire au hasard deux points
// et s'arrange pour que f(x1)< f(x2)
for pop=1 :2
for d=1 :D
pos(pop,d)=alea(posMin(d),posMax(d),randOption);
end
cost(pop)=pbEval(pb,pos(pop,:),posMin,posMax,normalise);
end
if cost(1)<=cost(2) then
x1=pos(1,:); x2=pos(2,:);
f2=cost(2);
else
x1=pos(2,:); x2=pos(1,:);

```

```
f2=cost(1);
    end
// x1 est le centre de la D-sphère et son rayon est dist(x1,x2)
radius=distance(x1,x2);
// On tire au hasard un point x3 à l'intérieur de la D-sphère
// et de l'espace de recherche
inside=0;
while inside ~D
    x3=randSphere(x1,radius,0,randOption);
    inside=0;
    for d=1 :D
if x3(d)<posMin(d) | x3(d)>posMax(d) then
        break;
    else inside=inside+1;
    end
    end
// On incrémente le compte de réussite
if f2>pbEval(pb,x3,posMin,posMax,normalise) then
    betterInside=betterInside+1;
end
case 1 // Problème combinatoire. Une position est une permutation
// On définit au hasard deux permutations différentes
// et on s'arrange pour que
// la première soit meilleure que la seconde
radius=0;
while radius<2
    x1=permut(D,randOption);
    x2=permut(D,randOption);
    // On calcule une distance entre les deux permutations
    radius=permutDist(x1,x2,distanceType);
end // Fin "while radius==0
// Le "centre" est la meilleure permutation
f1=pbEval(pb,x1,posMin,posMax,normalise);
f2=pbEval(pb,x2,posMin,posMax,normalise);
if f1<f2 then centre=x1, costOther=f2;
else centre=x2; costOther=f1;
end
// On effectue des transpositions au hasard sur le "centre";
// mais de façon à rester à une distance à l'autre permutation
// telle que 0 < dist < radius
dist=%inf;
while dist>=radius | dist==0
    newPos=centre; // Position initiale
    // On choisit au hasard un nombre de transpositions ...
    nbTrans=1+floor(alea(0,radius,randOption));
    // ... on les définit, toujours au hasard, et on les applique
    for nb=1 :nbTrans
p1=0; p2=0;
while p1==p2
    p1=1+floor(alea(0,D,randOption));
    p2=1+floor(alea(0,D,randOption));
end
temp=newPos(p1); newPos(p1)=newPos(p2); newPos(p2)=temp;
```



```

end
//La méthode est sans garantie, alors, éventuellement, on boucle
dist=permutDist(centre,newPos,distanceType);
end
// On teste la valeur de la nouvelle position
costNewPos=pbEval(pb,newPos,posMin,posMax,normalise);
if costNewPos<costOther then
betterInside=betterInside+1;
end
end // Fin de select combin
// Pour un suivi progressif
iter=iter+1;
absc(iter)=iter;
p=betterInside/iter; // Probabilité
nisb(iter)=2*p-1;// Corrélation
printf("\n niter %i => NisB %f",iter, nisb(iter));
end
printf("\n Problème %i, dimension %i", pb,D);
if combin then printf("\ndistanceType %i",distanceType); end
printf("\n %i itérations", iterMax);
itMin=floor(0.9*iterMax);
corrMean=mean(nisb(itMin :iterMax));
printf("\n Corrélation moyenne sur les 10%% dernières : %f", corrMean);
scf();
plot2d(absc,nisb,style=2);
xtitle(" ", "Nombre d'itérations", "Corrélation");
[absc,nisb]=resume(absc,nisb);
endfunction
//----- Test corrélation positive, sur la ligne entre deux positions
function nisbLine(pb,iterMax,randOption,distanceType)
// Pour une fonction unimodale, le coefficient est 1
// Attention : la réciproque est fausse (contre-exemple Rosenbrock 2D).
// Inversement, si la fonction est multimodale, le coefficient est inférieur à 1.
// Mais il ne s'agit que d'une estimation expérimentale.
// Par exemple Rosenbrock 4D est bimodale, mais la plupart
// des estimations donnent cependant 1
// (sauf à faire un nombre énorme d'estimations).
// Exemples :
// nisbLine(4,5000,0,1)
// nisbLine(204,10000,0)
// nisbLine(1002,5000,0,1)
// Note : distanceType n'est utile qu'en cas de problème combinatoire
// Attention : en fait, avec Kendall-Tau (distanceType=0),
// c'est sans intérêt. Utiliser plutôt distanceType=1.
// nisb = nearer is better
rand("seed",123456789); // Initialisation de la graine,
// pour résultats reproductibles
[D,posMin,posMax,quantis,normalise]=pbDef(pb);
printf("\n Problème %i, dimension %i",pb,D);
if pb>1000 then combin=1;
else combin=0; end
iter=0;
betterInside=0;
betterOutside=0;

```

```
while iter<iterMax
    select combin
case 0 // Problème non combinatoire
// On tire au hasard deux points
// et s'arrange pour que f(x1)< f(x2)
for pop=1 :2
    for d=1 :D
pos(pop,d)=alea(posMin(d),posMax(d),randOption);
    end
    cost(pop)=pbEval(pb,pos(pop, :),posMin,posMax,normalise);
end
if cost(1)<=cost(2) then
    x1=pos(1, :); x2=pos(2, :);
    f2=cost(2);
else
    x1=pos(2, :); x2=pos(1, :);
    f2=cost(1);
end
// On tire au hasard un point x3 entre les deux
lambda=-1;
while lambda<=0 // On exclut la valeur 0
// Ceci pourrait aussi être fait en utilisant
// l'epsilon-machine : lambda=alea(%eps,1,randOption);
    lambda=alea(0,1,randOption);
end
x3=x1+lambda*(x2-x1);
// On incrémente les comptes de réussite
f3=pbEval(pb,x3,posMin,posMax,normalise);
if f3<f2 then
    betterInside=betterInside+1;
end
case 1 // Problème combinatoire. Une position est une permutation
// On définit au hasard deux permutations suffisamment différentes
// et on s'arrange pour que la première soit meilleure que la seconde
radius=0;
while radius<2
    // x1=grand(1,'prm',identity);
    // x2=grand(1,'prm',identity);
    x1=permut(D,randOption);
    x2=permut(D, randOption);
    // On calcule une distance entre les deux permutations
    // et la séquence de transpositions pour passer de l'une à l'autre
    // Deux métriques possibles
    select distanceType
case 0 // Juste pour tests. Pas intéressant en pratique
    transpo=permutDecompKT(x1,x2);
case 1
    transpo=permutDecompCayley(x1,x2, []);
end
    [dummy,radius]=size(transpo);
end // Fin "while radius==0
f1=pbEval(pb,x1,posMin,posMax,normalise);
f2=pbEval(pb,x2,posMin,posMax,normalise);
costOther=max(f1,f2);
```

```

select distanceType
  case 0 // Kendall-Tau
dist=%inf;
while dist>=radius
  newPos=x1; // Position initiale.
      // Ce peut être la meilleure ou non, c'est sans importance
      // puisque de toute façon on cherche un point entre x1 et x2
      // et transpo donne la liste des transpositions pour aller de x1 à x2
      // On choisit au hasard un nombre de transpositions
      // et on les effectue pour être « entre » x1 et x2;
      nbTrans=1+floor(alea(0,radius,randOption));
      for nb=1 :nbTrans
p1=transpo(1,nb);
p2=transpo(2,nb);
temp=newPos(p1); newPos(p1)=newPos(p2); newPos(p2)=temp;
      end
      // La méthode est sans garantie,
      // alors on vérifie qu'on est bien « plus proche »
      // sinon, on boucle
      dist=permutDist(x2,newPos,distanceType);
end
  case 1 // Cayley
      newPos=x1; // Position initiale
      nbTrans=1+floor(alea(0,radius,randOption));
      for nb=1 :nbTrans
p1=transpo(1,nb);
p2=transpo(2,nb);
      temp=newPos(p1); newPos(p1)=newPos(p2); newPos(p2)=temp;
      end
      // La méthode est sûre. Pas besoin de boucler
end // Fin de select distanceType
// On teste la valeur de la nouvelle position
if pbEval(pb,newPos,posMin,posMax,normalise)<costOther then
  betterInside=betterInside+1;
end
end // Fin de select combin
// Pour un suivi progressif
iter=iter+1;
absc(iter)=iter;
p=betterInside/iter;
nisb(iter)=2*p-1;
printf("\n niter %i => NisB %f",iter,nisb(iter));
  end
  printf("\n Problème %i, dimension %i",pb,D);
  if combin then printf("\ndistanceType %i",distanceType); end
  printf("\n %i itérations", iterMax);
  itMin=floor(0.9*iterMax);
  corrMean=mean(nisb(itMin :iterMax));
  printf("\n Corrélation moyenne sur les 10%% dernières : %f",corrMean);
  scf();
  plot2d(absc,nisb,style=2);
  xtitle(" ", "Nombre d'itérations", "Corrélation");
  [absc,nisb]=resume(absc,nisb);
endfunction

```